

Sample Size		EUR	15736	AFA	4810	API	3526	HIS	3988
B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0702g	0101	0.00989	16	0.00291	84	0.00771	25	0.00382	49
0702g	0102	0.00007	543	0.00186	133	0.00000	NA	0.00026	586
0702g	0103	0.00182	109	0.00075	281	0.00028	544	0.00174	134
0702g	0301	0.00292	59	0.00186	135	0.00055	377	0.00000	NA
0702g	0302	0.00000	NA	0.00079	272	0.00000	NA	0.00000	NA
0702g	0401	0.00739	24	0.00138	168	0.00000	NA	0.00085	254
0702g	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	335	0.00071	319
0702g	0403	0.00029	318	0.00000	NA	0.00057	326	0.00076	277
0702g	0404	0.00391	45	0.00051	366	0.00000	NA	0.00021	838
0702g	0405	0.00006	563	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	240
0702g	0406	0.00000	NA	0.00021	588	0.00000	NA	0.00000	NA
0702g	0407	0.00145	136	0.00062	329	0.00000	NA	0.00028	537
0702g	0408	0.00022	359	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702g	0701	0.00639	29	0.00150	154	0.00233	95	0.00244	87
0702g	0801	0.00248	72	0.00022	536	0.00028	624	0.00000	NA
0702g	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00023	671	0.00029	528
0702g	0803	0.00021	367	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702g	0804	0.00006	672	0.00128	175	0.00000	NA	0.00000	NA
0702g	0806	0.00000	NA	0.00034	468	0.00000	NA	0.00000	NA
0702g	0901	0.00084	186	0.00675	26	0.00034	430	0.00104	215
0702g	1001	0.00042	270	0.00000	NA	0.00163	132	0.00114	202
0702g	1101	0.00360	49	0.00639	29	0.00024	665	0.00161	146
0702g	1102	0.00000	NA	0.00447	53	0.00000	NA	0.00093	242
0702g	1104	0.00114	160	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00073	314
0702g	1201g	0.00205	90	0.00185	136	0.00065	299	0.00025	595
0702g	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00035	422	0.00000	NA
0702g	1301	0.00541	33	0.00290	86	0.00134	167	0.00155	148
0702g	1302	0.00285	61	0.00506	47	0.00057	328	0.00149	162
0702g	1303	0.00026	333	0.00098	229	0.00000	NA	0.00038	492
0702g	1304	0.00000	NA	0.00081	268	0.00000	NA	0.00000	NA
0702g	1305	0.00007	539	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0702g	1312	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00022	673	0.00000	NA
0702g	1316	0.00000	NA	0.00042	402	0.00000	NA	0.00000	NA
0702g	1401g	0.00306	58	0.00335	71	0.00032	439	0.00058	355
0702g	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00016	683	0.00000	NA
0702g	1501	0.08253	2	0.01310	9	0.00412	49	0.02982	2
0702g	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00331	61	0.00025	599
0702g	1503	0.00007	551	0.01187	11	0.00000	NA	0.00201	106
0702g	1506	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00031	446	0.00000	NA
0702g	1601	0.00041	274	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00083	259

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0702g	1602	0.00000	NA	0.00058	340	0.00030	457	0.00000	NA
0704	0401	0.00004	736	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704	0404	0.00006	646	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704	1201g	0.00006	694	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0704	1501	0.00028	322	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0705g	0101	0.00000	760	0.00000	NA	0.00044	398	0.00000	NA
0705g	0102	0.00000	NA	0.00067	303	0.00000	NA	0.00000	NA
0705g	0301	0.00015	412	0.00000	NA	0.00029	464	0.00053	374
0705g	0302	0.00000	NA	0.00047	375	0.00000	NA	0.00000	NA
0705g	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00063	339
0705g	0405	0.00032	306	0.00021	658	0.00000	NA	0.00150	157
0705g	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	690	0.00000	NA
0705g	0701	0.00006	609	0.00105	214	0.00055	376	0.00000	NA
0705g	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	646	0.00000	NA
0705g	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00238	91	0.00000	NA
0705g	0901	0.00000	NA	0.00118	189	0.00056	369	0.00000	NA
0705g	1001	0.00063	216	0.00004	756	0.00782	24	0.00098	234
0705g	1101	0.00013	435	0.00108	205	0.00022	672	0.00000	NA
0705g	1102	0.00000	NA	0.00024	528	0.00000	NA	0.00000	NA
0705g	1104	0.00009	503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	768
0705g	1106	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00081	264	0.00000	NA
0705g	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	759
0705g	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00059	314	0.00000	NA
0705g	1208	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	523	0.00000	NA
0705g	1301	0.00000	NA	0.00040	449	0.00000	NA	0.00000	NA
0705g	1302	0.00019	380	0.00039	453	0.00000	NA	0.00062	342
0705g	1303	0.00012	463	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0705g	1401g	0.00022	357	0.00095	236	0.00000	NA	0.00025	631
0705g	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00030	451	0.00000	NA
0705g	1501	0.00016	403	0.00014	735	0.00236	92	0.00000	NA
0705g	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00226	100	0.00000	NA
0705g	1503	0.00000	NA	0.00088	254	0.00000	NA	0.00025	732
0705g	1601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	574	0.00000	NA
0709	0701	0.00000	NA	0.00021	674	0.00000	NA	0.00000	NA
0710	0301	0.00006	597	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0710	0403	0.00006	589	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0710	0701	0.00006	602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0715	1501	0.00006	660	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0721	1501	0.00006	639	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0801g	0101	0.00326	55	0.00023	534	0.00000	NA	0.00065	335
0801g	0102	0.00000	NA	0.00155	152	0.00000	NA	0.00027	557

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
0801g	0103	0.00009	505	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0801g	0301	0.09916	1	0.01953	3	0.01331	10	0.02777	3
0801g	0401	0.00285	62	0.00000	NA	0.00028	637	0.00000	NA
0801g	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00019	678	0.00025	651
0801g	0403	0.00007	557	0.00000	NA	0.00029	465	0.00000	NA
0801g	0404	0.00215	85	0.00021	594	0.00000	NA	0.00059	351
0801g	0405	0.00000	NA	0.00021	549	0.00000	NA	0.00000	NA
0801g	0407	0.00018	395	0.00022	542	0.00000	NA	0.00000	NA
0801g	0408	0.00019	376	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0801g	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	581
0801g	0701	0.00275	66	0.00212	118	0.00000	NA	0.00135	174
0801g	0801	0.00085	183	0.00021	572	0.00028	600	0.00000	NA
0801g	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	585
0801g	0804	0.00000	NA	0.00045	378	0.00000	NA	0.00000	NA
0801g	0901	0.00032	304	0.00021	668	0.00000	NA	0.00000	NA
0801g	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	322	0.00000	NA
0801g	1101	0.00189	106	0.00377	65	0.00000	NA	0.00052	377
0801g	1103	0.00007	534	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	796
0801g	1104	0.00045	257	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	466
0801g	1201g	0.00033	303	0.00028	498	0.00000	NA	0.00000	NA
0801g	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00017	682	0.00000	NA
0801g	1301	0.00281	64	0.00030	487	0.00038	410	0.00252	82
0801g	1302	0.00071	198	0.00145	160	0.00000	NA	0.00024	834
0801g	1303	0.00005	730	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00276	73
0801g	1304	0.00006	638	0.00602	32	0.00000	NA	0.00226	94
0801g	1401g	0.00042	271	0.00087	255	0.00000	NA	0.00050	459
0801g	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	569
0801g	1501	0.00644	28	0.00068	302	0.00040	403	0.00319	63
0801g	1502	0.00006	573	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	604
0801g	1503	0.00000	NA	0.00033	473	0.00000	NA	0.00000	NA
0801g	1601	0.00009	509	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0801g	1602	0.00000	NA	0.00044	383	0.00028	586	0.00000	NA
0805	0408	0.00006	674	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
0812	1102	0.00000	NA	0.00062	315	0.00000	NA	0.00000	NA
1301	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	228	0.00000	NA
1301	0701	0.00000	NA	0.00021	700	0.00062	309	0.00000	NA
1301	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00066	295	0.00000	NA
1301	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00135	165	0.00000	NA
1301	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00118	180	0.00025	612
1301	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00115	186	0.00000	NA
1301	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.01159	14	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1301	1302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	601	0.00000	NA
1301	1312	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00030	453	0.00000	NA
1301	1401g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00056	374	0.00000	NA
1301	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00087	236	0.00000	NA
1301	1407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00041	402	0.00000	NA
1301	1425	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	589	0.00000	NA
1301	1501	0.00000	NA	0.00021	679	0.00876	20	0.00000	NA
1301	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00074	281	0.00000	NA
1301	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00295	70	0.00050	421
1302	0101	0.00066	211	0.00225	112	0.00000	NA	0.00074	310
1302	0102	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	582
1302	0301	0.00050	248	0.00023	531	0.00028	486	0.00000	NA
1302	0401	0.00025	347	0.00021	624	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00001	871
1302	0403	0.00002	747	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	0404	0.00025	341	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	0405	0.00006	664	0.00000	NA	0.00072	285	0.00000	NA
1302	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	467	0.00000	NA
1302	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	829
1302	0408	0.00000	NA	0.00021	648	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	606	0.00000	NA
1302	0701	0.02170	8	0.00328	74	0.01864	6	0.00878	12
1302	0801	0.00010	492	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	563	0.00000	NA
1302	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	392	0.00000	NA
1302	0806	0.00000	NA	0.00021	696	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	0901	0.00000	NA	0.00090	250	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	1001	0.00013	442	0.00042	438	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	1101	0.00040	280	0.00000	NA	0.00029	476	0.00061	347
1302	1102	0.00000	NA	0.00042	433	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	1103	0.00003	742	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	756
1302	1104	0.00036	293	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	532
1302	1201g	0.00009	504	0.00042	416	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	1301	0.00046	253	0.00000	NA	0.00039	408	0.00053	370
1302	1302	0.00019	390	0.00000	NA	0.00031	449	0.00025	627
1302	1303	0.00006	693	0.00043	388	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	1304	0.00000	NA	0.00028	499	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	1401g	0.00015	416	0.00032	478	0.00000	NA	0.00000	NA
1302	1403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	622	0.00000	NA
1302	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	587	0.00000	NA
1302	1501	0.00103	166	0.00000	NA	0.00073	284	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1302	1601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00032	514
1401	0101	0.00007	537	0.00041	446	0.00000	NA	0.00015	847
1401	0102	0.00025	339	0.00011	741	0.00000	NA	0.00000	NA
1401	0301	0.00005	722	0.00024	518	0.00000	NA	0.00050	402
1401	0401	0.00026	335	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	591
1401	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00142	156	0.00025	760
1401	0405	0.00013	457	0.00049	370	0.00000	NA	0.00000	NA
1401	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00035	427	0.00000	NA
1401	0701	0.00690	27	0.00490	50	0.00000	NA	0.00584	24
1401	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00079	271	0.00000	NA
1401	0804	0.00000	NA	0.00031	485	0.00000	NA	0.00000	NA
1401	0901	0.00000	NA	0.00102	221	0.00000	NA	0.00000	NA
1401	1001	0.00000	NA	0.00021	584	0.00000	NA	0.00000	NA
1401	1102	0.00000	NA	0.00010	748	0.00000	NA	0.00000	NA
1401	1104	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	428
1401	1201g	0.00007	556	0.00071	292	0.00000	NA	0.00000	NA
1401	1301	0.00006	714	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1401	1303	0.00012	467	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1401	1401g	0.00007	549	0.00021	686	0.00000	NA	0.00024	833
1401	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	733
1401	1501	0.00034	298	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	541
1401	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	479	0.00000	NA
1401	1503	0.00000	NA	0.00036	461	0.00000	NA	0.00075	300
1401	1602	0.00000	NA	0.00029	497	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	0101	0.00040	278	0.00057	345	0.00000	NA	0.00053	375
1402	0102	0.01504	9	0.00264	97	0.00028	578	0.02102	4
1402	0301	0.00209	88	0.00260	98	0.00000	NA	0.00414	41
1402	0302	0.00000	NA	0.00154	153	0.00000	NA	0.00025	671
1402	0401	0.00046	254	0.00000	NA	0.00027	659	0.00081	263
1402	0402	0.00008	518	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	0404	0.00021	368	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	0405	0.00000	NA	0.00028	500	0.00028	558	0.00026	575
1402	0406	0.00000	NA	0.00021	672	0.00000	NA	0.00025	663
1402	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	378
1402	0701	0.00226	81	0.00239	105	0.00000	NA	0.00108	210
1402	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	429
1402	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	602
1402	0804	0.00000	NA	0.00024	524	0.00000	NA	0.00050	396
1402	0806	0.00006	677	0.00030	488	0.00000	NA	0.00029	529
1402	0901	0.00000	NA	0.00030	489	0.00000	NA	0.00025	621
1402	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	464

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1402	1101	0.00015	415	0.00041	445	0.00030	461	0.00224	96
1402	1102	0.00006	561	0.00086	256	0.00000	NA	0.00070	320
1402	1103	0.00006	671	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00020	842
1402	1104	0.00013	429	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1201g	0.00025	342	0.00034	471	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1301	0.00024	350	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	380
1402	1302	0.00366	48	0.00159	147	0.00000	NA	0.00123	190
1402	1303	0.00386	46	0.00071	291	0.00000	NA	0.00146	164
1402	1304	0.00000	NA	0.00054	355	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1401g	0.00009	511	0.00047	374	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1402	0.00000	NA	0.00021	558	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1501	0.00177	112	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00181	126
1402	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	427
1402	1503	0.00000	NA	0.00559	37	0.00000	NA	0.00132	177
1402	1601	0.00007	548	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1402	1602	0.00000	NA	0.00045	379	0.00000	NA	0.00000	NA
1403	0302	0.00000	NA	0.00123	180	0.00000	NA	0.00000	NA
1403	0409	0.00000	NA	0.00021	613	0.00000	NA	0.00000	NA
1403	0701	0.00000	NA	0.00022	537	0.00000	NA	0.00000	NA
1403	0804	0.00000	NA	0.00062	317	0.00000	NA	0.00000	NA
1403	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	408
1403	1001	0.00000	NA	0.00021	703	0.00000	NA	0.00000	NA
1405	0701	0.00000	NA	0.00042	439	0.00000	NA	0.00000	NA
1406	0102	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	649
1501g	0101	0.00598	31	0.00066	306	0.00034	431	0.00113	205
1501g	0102	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	816
1501g	0103	0.00020	370	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	750
1501g	0301	0.00139	140	0.00022	545	0.00104	209	0.00127	180
1501g	0401	0.02491	7	0.00498	48	0.00105	207	0.00329	58
1501g	0402	0.00014	425	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00008	868
1501g	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00087	238	0.00091	243
1501g	0404	0.00333	53	0.00062	327	0.00000	NA	0.00124	187
1501g	0405	0.00006	567	0.00000	NA	0.00122	178	0.00000	NA
1501g	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00806	22	0.00000	NA
1501g	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00112	206
1501g	0408	0.00020	372	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1501g	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00035	423	0.00025	736
1501g	0701	0.00187	108	0.00021	711	0.00050	387	0.00199	108
1501g	0801	0.00135	141	0.00021	642	0.00000	NA	0.00000	NA
1501g	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00383	48
1501g	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00088	234	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Majers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1501g	0901	0.00132	143	0.00000	NA	0.00335	60	0.00000	NA
1501g	1001	0.00000	NA	0.00021	578	0.00000	NA	0.00000	NA
1501g	1101	0.00359	50	0.00000	NA	0.00372	58	0.00150	161
1501g	1102	0.00013	444	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1501g	1103	0.00182	110	0.00021	566	0.00000	NA	0.00150	160
1501g	1104	0.00014	420	0.00000	NA	0.00028	580	0.00000	NA
1501g	1201g	0.00097	173	0.00000	NA	0.00052	384	0.00027	561
1501g	1202	0.00000	NA	0.00021	593	0.00117	181	0.00000	NA
1501g	1301	0.01164	12	0.00121	184	0.00000	NA	0.00331	57
1501g	1302	0.00042	267	0.00000	NA	0.00035	425	0.00000	NA
1501g	1303	0.00007	542	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	819
1501g	1350	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	579	0.00000	NA
1501g	1401g	0.00172	115	0.00021	589	0.00057	343	0.00048	468
1501g	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00148	163
1501g	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00133	169	0.00000	NA
1501g	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00167	131	0.00070	321
1501g	1407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00046	394	0.00000	NA
1501g	1419	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	497	0.00000	NA
1501g	1501	0.00519	36	0.00084	263	0.00508	38	0.00113	204
1501g	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00037	415	0.00000	NA
1501g	1503	0.00000	NA	0.00021	552	0.00000	NA	0.00000	NA
1501g	1506	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00085	243	0.00000	NA
1501g	1601	0.00008	512	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00039	489
1501g	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	478	0.00171	136
1502	0301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	466	0.00000	NA
1502	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00074	278	0.00000	NA
1502	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00030	452	0.00000	NA
1502	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00086	241	0.00000	NA
1502	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00113	194	0.00000	NA
1502	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	458	0.00000	NA
1502	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00251	85	0.00000	NA
1502	1201g	0.00000	NA	0.00021	628	0.00000	NA	0.00025	616
1502	1202	0.00000	NA	0.00062	326	0.02147	4	0.00000	NA
1502	1312	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00087	237	0.00000	NA
1502	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00035	420	0.00000	NA
1502	1407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00027	660	0.00000	NA
1502	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00465	43	0.00000	NA
1502	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00143	150	0.00000	NA
1502	1507	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	556	0.00000	NA
1503g	0101	0.00000	NA	0.00075	284	0.00000	NA	0.00000	NA
1503g	0102	0.00013	432	0.00291	83	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1503g	0103	0.00007	541	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1503g	0301	0.00025	346	0.00231	108	0.00000	NA	0.00182	123
1503g	0302	0.00000	NA	0.00247	102	0.00000	NA	0.00000	NA
1503g	0401	0.00006	712	0.00032	480	0.00000	NA	0.00000	NA
1503g	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	630
1503g	0403	0.00000	NA	0.00035	467	0.00028	623	0.00000	NA
1503g	0404	0.00000	NA	0.00044	385	0.00000	NA	0.00000	NA
1503g	0405	0.00000	NA	0.00066	305	0.00000	NA	0.00000	NA
1503g	0406	0.00006	656	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1503g	0701	0.00006	565	0.00934	13	0.00000	NA	0.00399	46
1503g	0804	0.00000	NA	0.00226	111	0.00000	NA	0.00089	248
1503g	0901	0.00000	NA	0.00389	62	0.00000	NA	0.00000	NA
1503g	1001	0.00006	713	0.00060	333	0.00000	NA	0.00039	488
1503g	1101	0.00013	431	0.01154	12	0.00000	NA	0.00324	61
1503g	1102	0.00000	NA	0.00218	116	0.00000	NA	0.00100	223
1503g	1104	0.00000	NA	0.00050	368	0.00000	NA	0.00000	NA
1503g	1110	0.00000	NA	0.00145	158	0.00000	NA	0.00025	793
1503g	1201g	0.00000	NA	0.00128	174	0.00000	NA	0.00054	367
1503g	1301	0.00000	NA	0.00184	137	0.00000	NA	0.00025	598
1503g	1302	0.00000	NA	0.00714	22	0.00000	NA	0.00206	104
1503g	1303	0.00006	651	0.00053	361	0.00000	NA	0.00025	727
1503g	1304	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	395
1503g	1401g	0.00000	NA	0.00144	161	0.00000	NA	0.00000	NA
1503g	1501	0.00000	NA	0.00052	364	0.00000	NA	0.00036	501
1503g	1503	0.00000	NA	0.00693	23	0.00000	NA	0.00025	779
1503g	1602	0.00000	NA	0.00093	242	0.00000	NA	0.00000	NA
1504	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	866
1504	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	857
1504	0804	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	864
1504	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	435
1504	1104	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	861
1504	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	735
1504	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	622
1505	0301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	582	0.00000	NA
1505	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	617	0.00000	NA
1505	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	334	0.00000	NA
1505	1104	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	557	0.00000	NA
1505	1111	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	485	0.00000	NA
1505	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00113	190	0.00000	NA
1506	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	490	0.00000	NA
1507	0401	0.00000	NA	0.00021	623	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1507	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00113	193	0.00013	853
1507	0404	0.00070	201	0.00000	NA	0.00028	647	0.00000	NA
1507	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00034	432	0.00013	854
1507	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	654	0.00000	NA
1507	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00080	267	0.00000	NA
1507	1401g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	705
1507	1501	0.00006	593	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1508	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	481	0.00000	NA
1508	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	545	0.00000	NA
1508	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	331	0.00000	NA
1508	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	772
1508	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	627	0.00000	NA
1509	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	812
1509	1302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	658
1510	0101	0.00000	NA	0.00052	365	0.00000	NA	0.00000	NA
1510	0102	0.00000	NA	0.00078	279	0.00000	NA	0.00000	NA
1510	0301	0.00000	NA	0.01205	10	0.00000	NA	0.00182	122
1510	0302	0.00000	NA	0.00075	282	0.00000	NA	0.00050	392
1510	0701	0.00000	NA	0.00171	141	0.00000	NA	0.00025	688
1510	0804	0.00006	621	0.00321	77	0.00000	NA	0.00000	NA
1510	1001	0.00000	NA	0.00247	103	0.00000	NA	0.00000	NA
1510	1101	0.00006	626	0.00143	162	0.00000	NA	0.00025	822
1510	1102	0.00000	NA	0.00023	535	0.00000	NA	0.00025	650
1510	1104	0.00000	NA	0.00085	258	0.00000	NA	0.00000	NA
1510	1201g	0.00000	NA	0.00054	358	0.00000	NA	0.00025	716
1510	1301	0.00000	NA	0.00097	232	0.00000	NA	0.00043	477
1510	1302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	332	0.00025	647
1510	1303	0.00000	NA	0.00124	178	0.00000	NA	0.00000	NA
1510	1304	0.00000	NA	0.00009	751	0.00000	NA	0.00000	NA
1510	1401g	0.00000	NA	0.00066	308	0.00000	NA	0.00025	731
1510	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	595	0.00000	NA
1510	1503	0.00000	NA	0.00286	88	0.00000	NA	0.00050	401
1511	0301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	471	0.00000	NA
1511	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	504	0.00000	NA
1511	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	592	0.00000	NA
1511	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00081	265	0.00000	NA
1511	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	386	0.00000	NA
1511	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	568	0.00000	NA
1511	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	499	0.00000	NA
1511	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00020	674	0.00000	NA
1511	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	570	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1511	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00233	94	0.00000	NA
1511	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	348	0.00000	NA
1511	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00040	406	0.00000	NA
1512g	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00113	189	0.00025	785
1512g	1418	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	362	0.00000	NA
1512g	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00127	173	0.00025	817
1512g	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00043	400	0.00000	NA
1513	1001	0.00000	NA	0.00021	598	0.00000	NA	0.00000	NA
1513	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00096	224	0.00000	NA
1513	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00074	280	0.00000	NA
1514	1101	0.00006	649	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1515	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	572
1515	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00082	260
1515	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00075	285
1515	0701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00027	563
1515	0802	0.00006	678	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00567	27
1516	0102	0.00006	603	0.00675	25	0.00000	NA	0.00025	596
1516	0301	0.00000	NA	0.00056	346	0.00000	NA	0.00025	757
1516	0302	0.00000	NA	0.00131	172	0.00000	NA	0.00050	400
1516	0401	0.00006	655	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1516	0403	0.00006	632	0.00021	707	0.00000	NA	0.00000	NA
1516	0404	0.00000	NA	0.00013	738	0.00000	NA	0.00000	NA
1516	0405	0.00000	NA	0.00021	596	0.00000	NA	0.00050	460
1516	0701	0.00006	644	0.00156	149	0.00000	NA	0.00050	413
1516	0804	0.00000	NA	0.00101	224	0.00000	NA	0.00000	NA
1516	0901	0.00000	NA	0.00061	331	0.00000	NA	0.00025	820
1516	1102	0.00000	NA	0.00084	261	0.00000	NA	0.00050	437
1516	1104	0.00000	NA	0.00010	747	0.00000	NA	0.00025	696
1516	1302	0.00000	NA	0.00054	356	0.00000	NA	0.00000	NA
1516	1303	0.00006	630	0.00069	299	0.00000	NA	0.00125	183
1516	1503	0.00000	NA	0.00148	156	0.00000	NA	0.00025	665
1516	1602	0.00000	NA	0.00021	712	0.00000	NA	0.00000	NA
1517	0102	0.00006	571	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1517	0301	0.00000	NA	0.00032	481	0.00000	NA	0.00027	556
1517	0302	0.00000	NA	0.00037	458	0.00000	NA	0.00000	NA
1517	0402	0.00006	633	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1517	0404	0.00006	700	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	547
1517	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	535	0.00000	NA
1517	0701	0.00000	NA	0.00070	296	0.00064	302	0.00124	189
1517	1001	0.00008	525	0.00006	754	0.00000	NA	0.00000	NA
1517	1101	0.00013	430	0.00100	228	0.00056	373	0.00050	446

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1517	1102	0.00000	NA	0.00055	353	0.00000	NA	0.00000	NA
1517	1117	0.00000	NA	0.00021	697	0.00000	NA	0.00000	NA
1517	1201g	0.00006	614	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1517	1301	0.00006	706	0.00000	NA	0.00028	532	0.00000	NA
1517	1302	0.00201	95	0.00117	188	0.00243	89	0.00258	81
1517	1303	0.00013	443	0.00074	286	0.00000	NA	0.00000	NA
1517	1304	0.00000	NA	0.00021	620	0.00000	NA	0.00000	NA
1517	1501	0.00007	535	0.00000	NA	0.00006	693	0.00165	144
1517	1503	0.00000	NA	0.00071	289	0.00000	NA	0.00000	NA
1517	1506	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	530	0.00000	NA
1518	0101	0.00007	527	0.00000	NA	0.00111	197	0.00050	454
1518	0301	0.00010	493	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1518	0401	0.00032	308	0.00000	NA	0.00198	111	0.00000	NA
1518	0402	0.00005	719	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00069	326
1518	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00141	158	0.00000	NA
1518	0404	0.00009	499	0.00021	709	0.00000	NA	0.00000	NA
1518	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	531
1518	0407	0.00001	756	0.00000	NA	0.00028	597	0.00000	NA
1518	0408	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00003	695	0.00000	NA
1518	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	795
1518	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	349	0.00000	NA
1518	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	382	0.00000	NA
1518	0901	0.00000	NA	0.00021	638	0.00080	269	0.00000	NA
1518	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	526	0.00000	NA
1518	1101	0.00009	507	0.00000	NA	0.00212	105	0.00027	559
1518	1103	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	589
1518	1106	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	609	0.00000	NA
1518	1201g	0.00006	675	0.00000	NA	0.00017	680	0.00000	NA
1518	1301	0.00018	391	0.00042	390	0.00000	NA	0.00040	486
1518	1302	0.00010	498	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1518	1303	0.00000	NA	0.00021	571	0.00000	NA	0.00000	NA
1518	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00036	416	0.00000	NA
1518	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00035	503
1518	1601	0.00012	476	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1521	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00060	312	0.00000	NA
1521	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	489	0.00000	NA
1521	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00037	418	0.00000	NA
1521	1408	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	590	0.00000	NA
1521	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00216	102	0.00000	NA
1524	1601	0.00006	598	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1525	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00038	411	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1525	0901	0.00000	NA	0.00021	681	0.00000	NA	0.00000	NA
1525	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00085	250	0.00000	NA
1525	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00284	73	0.00000	NA
1525	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00076	277	0.00000	NA
1525	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	554	0.00000	NA
1525	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	357	0.00000	NA
1527	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	500	0.00000	NA
1527	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00308	69	0.00000	NA
1527	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00058	318	0.00000	NA
1527	1301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	515	0.00000	NA
1527	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00032	445	0.00000	NA
1529	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	641	0.00000	NA
1529	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	569	0.00000	NA
1529	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	347	0.00000	NA
1530	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00049	463
1530	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	689
1530	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00051	382
1530	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	662
1531	0101	0.00000	NA	0.00042	401	0.00000	NA	0.00000	NA
1531	1401g	0.00000	NA	0.00021	563	0.00000	NA	0.00000	NA
1534	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	564	0.00000	NA
1535	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00259	82	0.00000	NA
1535	0701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00023	669	0.00000	NA
1535	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00056	375	0.00000	NA
1535	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	360	0.00000	NA
1535	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	632	0.00000	NA
1535	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00314	66	0.00025	648
1535	1514	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	572	0.00000	NA
1537	0301	0.00000	NA	0.00083	267	0.00000	NA	0.00000	NA
1537	1602	0.00000	NA	0.00021	649	0.00000	NA	0.00000	NA
1539	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00125	181
1539	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	628
1539	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	624
1540	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00075	292
1545	1001	0.00006	670	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1547	1101	0.00000	NA	0.00042	431	0.00000	NA	0.00050	415
1552	0302	0.00000	NA	0.00021	651	0.00000	NA	0.00000	NA
1554	0405	0.00000	NA	0.00021	705	0.00000	NA	0.00000	NA
1554	1501	0.00000	NA	0.00021	706	0.00000	NA	0.00000	NA
1561	1503	0.00000	NA	0.00021	603	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	0101	0.00226	80	0.00066	307	0.00000	NA	0.00068	328

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1801g	0102	0.00000	NA	0.00054	354	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	0301	0.01004	14	0.00604	31	0.00028	573	0.01375	6
1801g	0302	0.00000	NA	0.00148	155	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	0401	0.00176	113	0.00050	369	0.00028	560	0.00078	273
1801g	0402	0.00006	576	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	0403	0.00094	176	0.00035	466	0.00109	201	0.00178	129
1801g	0404	0.00008	524	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00105	214
1801g	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	573
1801g	0701	0.00211	86	0.00677	24	0.00000	NA	0.00189	116
1801g	0801	0.00080	189	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00070	325
1801g	0802	0.00000	NA	0.00021	683	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	0804	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00042	481
1801g	0901	0.00058	226	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	412
1801g	1001	0.00000	NA	0.00071	293	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	1101	0.00440	40	0.00539	39	0.00065	297	0.00190	115
1801g	1103	0.00006	708	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	1104	0.00986	17	0.00092	244	0.00311	68	0.00427	40
1801g	1201g	0.00071	199	0.00035	462	0.00000	NA	0.00027	550
1801g	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00106	206	0.00000	NA
1801g	1301	0.00164	118	0.00160	146	0.00085	249	0.00310	66
1801g	1302	0.00030	314	0.00116	192	0.00000	NA	0.00115	200
1801g	1303	0.00013	461	0.00054	357	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	1304	0.00000	NA	0.00003	758	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	1305	0.00013	440	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	1401g	0.00144	137	0.00045	382	0.00044	396	0.00025	637
1801g	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00062	305	0.00000	NA
1801g	1407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00075	297
1801g	1501	0.00849	20	0.00376	66	0.00132	170	0.00510	32
1801g	1502	0.00008	516	0.00021	693	0.00134	166	0.00025	691
1801g	1503	0.00000	NA	0.00388	63	0.00000	NA	0.00000	NA
1801g	1506	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	366	0.00000	NA
1801g	1601	0.00034	300	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	422
1801g	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	590
1802	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	644	0.00000	NA
1802	1104	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	781
1802	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00142	154	0.00000	NA
1803	0701	0.00006	587	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1803	1104	0.00044	260	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	761
1803	1401g	0.00006	575	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1804	1104	0.00013	458	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
1804	1501	0.00006	583	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
1806	1104	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	674
1808	1501	0.00006	681	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2702	0101	0.00008	514	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	646
2702	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	747
2702	0701	0.00037	289	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2702	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	703
2702	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	686
2702	1101	0.00072	196	0.00021	586	0.00000	NA	0.00050	404
2702	1102	0.00006	625	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	405
2702	1104	0.00002	749	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2702	1201g	0.00006	661	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2702	1301	0.00041	273	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2702	1303	0.00006	631	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2702	1401g	0.00006	615	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	626
2702	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	643	0.00000	NA
2702	1601	0.00100	169	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	451
2702	1602	0.00006	616	0.00021	694	0.00000	NA	0.00000	NA
2703	0301	0.00000	NA	0.00021	610	0.00000	NA	0.00000	NA
2703	0405	0.00000	NA	0.00021	698	0.00000	NA	0.00000	NA
2703	0701	0.00000	NA	0.00104	217	0.00000	NA	0.00000	NA
2703	0801	0.00006	627	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2703	0804	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00075	303
2703	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	777
2703	1102	0.00000	NA	0.00062	325	0.00000	NA	0.00000	NA
2703	1301	0.00000	NA	0.00021	582	0.00000	NA	0.00000	NA
2704	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00099	218	0.00000	NA
2704	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00030	455	0.00000	NA
2704	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00099	219	0.00000	NA
2704	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00049	389	0.00000	NA
2704	1106	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	618	0.00000	NA
2704	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00031	448	0.00000	NA
2704	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00149	143	0.00000	NA
2704	1302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	488	0.00000	NA
2704	1401g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00106	204	0.00000	NA
2704	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	680
2704	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00032	444	0.00000	NA
2704	1418	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	575	0.00000	NA
2704	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	626	0.00000	NA
2705g	0101	0.01026	13	0.00208	119	0.00389	53	0.00663	22
2705g	0103	0.00167	116	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2705g	0301	0.00081	188	0.00083	265	0.00036	419	0.00153	153

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
2705g	0302	0.00000	NA	0.00021	621	0.00000	NA	0.00000	NA
2705g	0401	0.00393	44	0.00063	314	0.00085	254	0.00075	307
2705g	0403	0.00040	279	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2705g	0404	0.00217	84	0.00000	NA	0.00085	245	0.00197	111
2705g	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	645	0.00000	NA
2705g	0407	0.00033	302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	376
2705g	0408	0.00016	410	0.00000	NA	0.00028	495	0.00000	NA
2705g	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	673
2705g	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	593
2705g	0701	0.00109	165	0.00111	197	0.00000	NA	0.00059	353
2705g	0801	0.00202	94	0.00042	418	0.00057	361	0.00000	NA
2705g	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00054	366
2705g	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	460	0.00000	NA
2705g	0805	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	561	0.00000	NA
2705g	0901	0.00098	171	0.00041	440	0.00000	NA	0.00000	NA
2705g	1001	0.00000	NA	0.00014	736	0.00000	NA	0.00000	NA
2705g	1101	0.00191	104	0.00000	NA	0.00029	472	0.00096	237
2705g	1102	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	714
2705g	1103	0.00019	387	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2705g	1104	0.00004	732	0.00021	557	0.00000	NA	0.00000	NA
2705g	1201g	0.00057	228	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2705g	1301	0.00155	130	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00027	564
2705g	1302	0.00009	506	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2705g	1303	0.00006	653	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2705g	1401g	0.00093	177	0.00000	NA	0.00057	329	0.00000	NA
2705g	1402	0.00000	NA	0.00021	597	0.00000	NA	0.00108	211
2705g	1501	0.00320	56	0.00042	421	0.00000	NA	0.00054	368
2705g	1601	0.00017	401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00042	480
2706	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00034	434	0.00000	NA
2706	1202	0.00000	NA	0.00042	429	0.00091	230	0.00000	NA
2706	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00159	136	0.00000	NA
2707	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	492	0.00000	NA
2707	0701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	630	0.00000	NA
2707	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	566	0.00000	NA
2707	1101	0.00013	449	0.00000	NA	0.00028	484	0.00000	NA
2707	1104	0.00019	381	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2707	1303	0.00006	578	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2709	0101	0.00006	605	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2710	1501	0.00006	634	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2712	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	826
2714	0101	0.00015	411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
2714	0404	0.00004	739	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
2720	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	649	0.00000	NA
3501g	0101	0.02750	5	0.00477	51	0.00567	31	0.00855	15
3501g	0102	0.00000	NA	0.00227	109	0.00000	NA	0.00000	NA
3501g	0103	0.00338	52	0.00055	352	0.00000	NA	0.00174	135
3501g	0301	0.00153	132	0.00269	92	0.00028	591	0.00343	55
3501g	0302	0.00000	NA	0.00732	21	0.00000	NA	0.00075	281
3501g	0401	0.00060	223	0.00015	732	0.00000	NA	0.00000	NA
3501g	0402	0.00156	128	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00078	272
3501g	0403	0.00012	468	0.00000	NA	0.00178	121	0.00042	479
3501g	0404	0.00120	153	0.00021	664	0.00057	342	0.00075	305
3501g	0405	0.00007	552	0.00162	145	0.00154	141	0.00027	549
3501g	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00110	199	0.00025	608
3501g	0407	0.00242	75	0.00103	220	0.00028	513	0.00707	21
3501g	0408	0.00007	538	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3501g	0410	0.00000	NA	0.00042	425	0.00157	138	0.00000	NA
3501g	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00153	154
3501g	0701	0.00229	78	0.00396	60	0.00145	147	0.00125	186
3501g	0801	0.00157	126	0.00042	393	0.00057	346	0.00000	NA
3501g	0802	0.00000	NA	0.00021	684	0.00100	216	0.00906	11
3501g	0803	0.00007	559	0.00000	NA	0.00118	179	0.00000	NA
3501g	0804	0.00000	NA	0.00196	123	0.00000	NA	0.00000	NA
3501g	0806	0.00000	NA	0.00102	222	0.00000	NA	0.00000	NA
3501g	0810	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	763
3501g	0901	0.00000	NA	0.00110	201	0.00227	98	0.00041	484
3501g	1001	0.00065	213	0.00289	87	0.00020	675	0.00081	262
3501g	1101	0.00289	60	0.00431	56	0.00278	76	0.00189	117
3501g	1102	0.00009	510	0.00508	45	0.00000	NA	0.00099	231
3501g	1103	0.00024	353	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	588
3501g	1104	0.00064	215	0.00002	760	0.00000	NA	0.00217	100
3501g	1201g	0.00027	324	0.00235	107	0.00167	130	0.00057	360
3501g	1301	0.00264	67	0.00379	64	0.00180	120	0.00471	35
3501g	1302	0.00090	178	0.00652	27	0.00000	NA	0.00120	193
3501g	1303	0.00018	398	0.00107	212	0.00028	584	0.00000	NA
3501g	1304	0.00000	NA	0.00127	176	0.00000	NA	0.00039	490
3501g	1305	0.00019	377	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00075	295
3501g	1401g	0.00330	54	0.00056	347	0.00277	77	0.00166	143
3501g	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00441	38
3501g	1403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00066	294	0.00000	NA
3501g	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00115	187	0.00000	NA
3501g	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00099	220	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
3501g	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00032	440	0.00269	78
3501g	1407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00085	246	0.00000	NA
3501g	1501	0.00232	77	0.00104	218	0.00732	26	0.00088	250
3501g	1502	0.00006	667	0.00000	NA	0.00150	142	0.00000	NA
3501g	1503	0.00000	NA	0.00618	30	0.00000	NA	0.00056	361
3501g	1601	0.00040	277	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3501g	1602	0.00000	NA	0.00029	496	0.00042	401	0.00272	76
3502	0101	0.00008	522	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3502	0102	0.00020	371	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3502	0301	0.00007	532	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00154	151
3502	0401	0.00000	NA	0.00021	625	0.00000	NA	0.00000	NA
3502	0403	0.00056	231	0.00000	NA	0.00028	507	0.00000	NA
3502	0701	0.00026	329	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00051	390
3502	1001	0.00006	691	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3502	1101	0.00027	328	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00030	522
3502	1103	0.00012	478	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3502	1104	0.00861	19	0.00042	397	0.00170	126	0.00773	18
3502	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	650	0.00025	719
3502	1301	0.00031	310	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3502	1302	0.00013	438	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00020	841
3502	1303	0.00006	702	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3502	1406	0.00006	658	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3502	1501	0.00007	558	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3502	1502	0.00006	612	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3502	1601	0.00006	564	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3503	0101	0.00077	193	0.00041	447	0.00031	447	0.00063	338
3503	0103	0.00000	NA	0.00006	752	0.00000	NA	0.00050	403
3503	0301	0.00014	422	0.00000	NA	0.00104	210	0.00000	NA
3503	0401	0.00117	155	0.00000	NA	0.00033	437	0.00025	782
3503	0402	0.00000	NA	0.00021	609	0.00000	NA	0.00000	NA
3503	0403	0.00113	161	0.00000	NA	0.00096	223	0.00063	337
3503	0404	0.00048	251	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00119	197
3503	0407	0.00000	NA	0.00021	663	0.00000	NA	0.00056	363
3503	0408	0.00043	265	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00059	352
3503	0701	0.00077	192	0.00040	448	0.00276	78	0.00069	327
3503	0801	0.00102	167	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3503	0802	0.00006	582	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3503	0803	0.00013	446	0.00021	608	0.00029	477	0.00000	NA
3503	0901	0.00011	482	0.00000	NA	0.00086	239	0.00000	NA
3503	1001	0.00000	NA	0.00021	567	0.00000	NA	0.00000	NA
3503	1101	0.00116	157	0.00000	NA	0.00380	54	0.00267	79

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
3503	1102	0.00000	NA	0.00029	494	0.00000	NA	0.00000	NA
3503	1104	0.00061	219	0.00021	611	0.00025	664	0.00000	NA
3503	1108	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	502	0.00000	NA
3503	1115	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	792
3503	1139	0.00006	647	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3503	1201g	0.00202	93	0.00035	464	0.00083	258	0.00051	386
3503	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00065	300	0.00000	NA
3503	1301	0.00070	200	0.00033	474	0.00583	30	0.00112	207
3503	1302	0.00117	156	0.00022	546	0.00000	NA	0.00186	119
3503	1303	0.00005	720	0.00021	605	0.00000	NA	0.00034	508
3503	1305	0.00006	665	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3503	1401g	0.00173	114	0.00000	NA	0.00198	112	0.00099	232
3503	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00090	231	0.00000	NA
3503	1407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	653	0.00000	NA
3503	1418	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	619	0.00000	NA
3503	1501	0.00159	121	0.00022	543	0.00116	183	0.00100	229
3503	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	391	0.00025	798
3503	1506	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00082	260	0.00000	NA
3503	1601	0.00024	352	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3504	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	730
3504	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	669
3505	0101	0.00006	662	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3505	0302	0.00000	NA	0.00021	717	0.00000	NA	0.00000	NA
3505	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	398
3505	0411	0.00000	NA	0.00021	619	0.00000	NA	0.00000	NA
3505	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	518	0.00000	NA
3505	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00142	155	0.00000	NA
3505	1202	0.00000	NA	0.00042	414	0.00509	37	0.00025	807
3505	1402	0.00000	NA	0.00021	577	0.00000	NA	0.00050	418
3505	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	494	0.00000	NA
3505	1418	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	531	0.00000	NA
3505	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	340	0.00000	NA
3505	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00201	107	0.00000	NA
3505	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	588	0.00000	NA
3506	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	715
3508	0101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	241
3508	0301	0.00007	553	0.00021	688	0.00028	552	0.00027	552
3508	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00193	113
3508	0403	0.00068	208	0.00000	NA	0.00057	344	0.00075	299
3508	0404	0.00012	466	0.00000	NA	0.00057	339	0.00074	308
3508	0701	0.00039	283	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
3508	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	617
3508	1001	0.00044	263	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	737
3508	1101	0.00054	237	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00027	551
3508	1103	0.00006	682	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	701
3508	1104	0.00064	214	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	632
3508	1201g	0.00013	434	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3508	1301	0.00015	414	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	543
3508	1302	0.00001	757	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	780
3508	1305	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00027	565
3508	1401g	0.00025	344	0.00021	692	0.00028	533	0.00132	176
3508	1501	0.00008	513	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00101	222
3508	1601	0.00013	441	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3508	1602	0.00006	709	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3510	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	709
3510	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	640
3510	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	813
3511	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	745
3512	0101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00006	870
3512	0301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00027	560
3512	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	467
3512	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00067	331
3512	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00058	356
3512	0407	0.00013	455	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00568	26
3512	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	609
3512	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00061	345
3512	0802	0.00006	642	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00855	14
3512	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00058	357
3512	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	536
3512	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00079	268
3514	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00120	194
3514	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00181	125
3516	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	695
3516	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	659
3516	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	766
3516	1401g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	720
3517	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	359
3517	0404	0.00006	586	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00070	324
3517	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00145	165
3517	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00034	510
3517	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00871	13
3517	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	636

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
3517	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00048	469
3517	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00034	505
3517	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00178	128
3517	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00027	566
3517	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	170
3520	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	789
3520	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	802
3520	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	742
3520	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	406
3520	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	633
3521	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	438
3522	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00100	224
3523	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	629
3523	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	685
3527	0404	0.00006	617	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3528	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	776
3528	0802	0.00000	NA	0.00021	592	0.00000	NA	0.00050	433
3530	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	426
3530	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	799
3530	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	739
3543g	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00176	130
3543g	0407	0.00000	NA	0.00042	424	0.00000	NA	0.00539	29
3543g	0408	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	638
3543g	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	850
3543g	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	417
3701	0101	0.00114	159	0.00000	NA	0.00057	325	0.00025	677
3701	0103	0.00008	517	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3701	0301	0.00003	741	0.00000	NA	0.00028	546	0.00028	540
3701	0401	0.00120	152	0.00042	398	0.00000	NA	0.00050	447
3701	0404	0.00021	366	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3701	0406	0.00006	641	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3701	0407	0.00008	521	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3701	0701	0.00084	185	0.00120	185	0.00057	345	0.00051	381
3701	0801	0.00038	286	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3701	1001	0.00404	43	0.00109	204	0.01170	13	0.00187	118
3701	1101	0.00116	158	0.00070	294	0.00077	274	0.00025	667
3701	1103	0.00023	355	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00024	831
3701	1104	0.00020	375	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3701	1201g	0.00003	744	0.00021	654	0.00000	NA	0.00000	NA
3701	1301	0.00077	191	0.00061	332	0.00000	NA	0.00022	837
3701	1302	0.00040	276	0.00021	590	0.00028	536	0.00050	411

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
3701	1303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00062	341
3701	1401g	0.00028	323	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3701	1501	0.00220	83	0.00035	465	0.00000	NA	0.00050	441
3701	1503	0.00000	NA	0.00045	380	0.00000	NA	0.00000	NA
3701	1506	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	356	0.00000	NA
3701	1601	0.00014	421	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3701	1602	0.00000	NA	0.00017	725	0.00000	NA	0.00000	NA
3801	0101	0.00019	386	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00232	90
3801	0102	0.00019	389	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3801	0103	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	811
3801	0301	0.00023	354	0.00000	NA	0.00028	611	0.00000	NA
3801	0401	0.00035	294	0.00021	701	0.00028	603	0.00102	218
3801	0402	0.00558	32	0.00000	NA	0.00057	336	0.00451	36
3801	0403	0.00006	579	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	407
3801	0404	0.00005	721	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	475
3801	0405	0.00000	NA	0.00042	432	0.00000	NA	0.00025	692
3801	0407	0.00006	701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3801	0701	0.00040	275	0.00000	NA	0.00113	191	0.00000	872
3801	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	801
3801	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	501	0.00000	NA
3801	0803	0.00025	340	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	443
3801	0804	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	643
3801	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	364	0.00000	NA
3801	1001	0.00012	477	0.00000	NA	0.00028	610	0.00000	NA
3801	1101	0.00128	147	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	548
3801	1103	0.00008	515	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3801	1104	0.00133	142	0.00021	702	0.00000	NA	0.00050	461
3801	1201g	0.00016	406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3801	1301	0.00816	22	0.00042	411	0.00085	248	0.00435	39
3801	1302	0.00089	179	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00131	178
3801	1401g	0.00164	119	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00100	230
3801	1407	0.00006	657	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3801	1501	0.00056	230	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00080	266
3801	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	597
3801	1503	0.00000	NA	0.00021	617	0.00000	NA	0.00000	NA
3801	1601	0.00014	427	0.00021	716	0.00000	NA	0.00025	754
3801	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	576	0.00000	NA
3802	0301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	565	0.00000	NA
3802	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00143	151	0.00000	NA
3802	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00040	404	0.00000	NA
3802	0701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00024	666	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
3802	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00483	40	0.00000	NA
3802	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00311	67	0.00000	NA
3802	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	397	0.00000	NA
3802	1106	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	233	0.00000	NA
3802	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00040	405	0.00000	NA
3802	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00199	108	0.00000	NA
3802	1312	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	330	0.00000	NA
3802	1401g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00082	262	0.00000	NA
3802	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	320	0.00000	NA
3802	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00019	679	0.00000	NA
3802	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.01514	9	0.00000	NA
3802	1504	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	367	0.00000	NA
3802	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00471	41	0.00000	NA
3809	0402	0.00006	669	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3901g	0101	0.00111	162	0.00000	NA	0.00057	327	0.00065	334
3901g	0102	0.00000	NA	0.00021	665	0.00000	NA	0.00000	NA
3901g	0301	0.00012	470	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3901g	0302	0.00000	NA	0.00021	548	0.00000	NA	0.00000	NA
3901g	0401	0.00025	343	0.00020	719	0.00000	NA	0.00000	NA
3901g	0403	0.00011	490	0.00000	NA	0.00128	172	0.00067	330
3901g	0404	0.00029	316	0.00021	564	0.00057	350	0.00000	NA
3901g	0405	0.00000	NA	0.00006	755	0.00117	182	0.00000	NA
3901g	0407	0.00004	738	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00075	302
3901g	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	618
3901g	0701	0.00069	205	0.00000	NA	0.00028	655	0.00029	538
3901g	0801	0.00099	170	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	450
3901g	0802	0.00006	610	0.00000	NA	0.00020	677	0.00210	102
3901g	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00466	42	0.00000	NA
3901g	0811	0.00006	611	0.00083	266	0.00000	NA	0.00000	NA
3901g	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00017	681	0.00000	NA
3901g	1001	0.00006	697	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3901g	1101	0.00190	105	0.00000	NA	0.00102	213	0.00068	329
3901g	1102	0.00010	491	0.00036	459	0.00000	NA	0.00000	NA
3901g	1104	0.00006	717	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3901g	1201g	0.00053	241	0.00021	657	0.00031	450	0.00025	773
3901g	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00163	133	0.00000	NA
3901g	1301	0.00053	242	0.00058	339	0.00025	663	0.00109	209
3901g	1303	0.00006	684	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3901g	1311	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	693
3901g	1401g	0.00029	320	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3901g	1403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	543	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
3901g	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	702
3901g	1501	0.00071	197	0.00062	316	0.00096	225	0.00060	350
3901g	1503	0.00000	NA	0.00025	516	0.00000	NA	0.00000	NA
3901g	1601	0.00155	129	0.00042	434	0.00000	NA	0.00120	195
3901g	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	696	0.00050	436
3902	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00114	203
3902	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00024	830
3902	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00032	515
3902	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	642
3902	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00038	494
3902	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00169	140
3903	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	797
3903	1104	0.00006	620	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3903	1303	0.00013	451	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3903	1501	0.00006	594	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3905	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	351	0.00000	NA
3905	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00051	385
3905	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	487	0.00000	NA
3905	0407	0.00013	454	0.00000	NA	0.00000	NA	0.01666	5
3905	0408	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	579
3905	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00037	496
3905	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00214	101
3905	0414	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	808
3905	0701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00027	554
3905	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00155	147
3905	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	585	0.00000	NA
3905	1309	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	610
3905	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00055	365
3905	1407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	786
3906	0101	0.00055	233	0.00025	514	0.00000	NA	0.00000	NA
3906	0103	0.00004	731	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3906	0301	0.00006	715	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3906	0401	0.00010	497	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3906	0403	0.00002	752	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	804
3906	0404	0.00006	686	0.00016	726	0.00000	NA	0.00283	69
3906	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00114	201
3906	0408	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	527
3906	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	416
3906	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00027	568
3906	0701	0.00049	249	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3906	0801	0.00197	99	0.00042	395	0.00000	NA	0.00100	227

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
3906	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00174	133
3906	1101	0.00021	364	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	453
3906	1301	0.00036	291	0.00042	409	0.00000	NA	0.00034	512
3906	1302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	762
3906	1401g	0.00006	716	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	824
3906	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00061	346
3906	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	598	0.00000	NA
3906	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00956	10
3906	1501	0.00088	182	0.00062	328	0.00000	NA	0.00000	NA
3906	1502	0.00006	596	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3906	1601	0.00016	408	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	823
3906	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00051	383
3908	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	525
3908	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	670
3908	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00121	192
3908	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	456
3909	0411	0.00000	NA	0.00021	616	0.00000	NA	0.00025	724
3909	1303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	623
3909	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	338	0.00000	NA
3909	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	642	0.00000	NA
3910	0302	0.00000	NA	0.00095	233	0.00000	NA	0.00000	NA
3910	0404	0.00000	NA	0.00016	728	0.00000	NA	0.00000	NA
3910	0701	0.00000	NA	0.00109	202	0.00000	NA	0.00000	NA
3910	0804	0.00000	NA	0.00002	759	0.00000	NA	0.00000	NA
3910	1001	0.00000	NA	0.00041	442	0.00000	NA	0.00000	NA
3910	1301	0.00000	NA	0.00090	248	0.00000	NA	0.00000	NA
3910	1302	0.00000	NA	0.00042	408	0.00000	NA	0.00000	NA
3910	1303	0.00000	NA	0.00036	460	0.00000	NA	0.00000	NA
3910	1304	0.00000	NA	0.00034	470	0.00000	NA	0.00025	698
3910	1401g	0.00000	NA	0.00042	435	0.00000	NA	0.00000	NA
3910	1503	0.00000	NA	0.00167	142	0.00000	NA	0.00000	NA
3910	1602	0.00000	NA	0.00032	483	0.00000	NA	0.00000	NA
3911	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	775
3911	0417	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	769
3911	1503	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	788
3911	1601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	712
3911	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	614
3912	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	758
3913	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	825
3913	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	664
3914	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	682

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
3915	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	599	0.00000	NA
3915	1422	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	548	0.00000	NA
3924	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	851
3924	0804	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	852
3924	1101	0.00006	643	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3924	1302	0.00006	673	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3924	1303	0.00019	378	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
3924	1601	0.00006	623	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4001g	0101	0.00368	47	0.00145	159	0.00023	670	0.00036	499
4001g	0102	0.00006	699	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00053	369
4001g	0103	0.00026	330	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	675
4001g	0301	0.00143	138	0.00023	533	0.00000	NA	0.00046	473
4001g	0302	0.00000	NA	0.00041	441	0.00000	NA	0.00000	NA
4001g	0401	0.00461	39	0.00269	93	0.00035	424	0.00077	276
4001g	0402	0.00007	544	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4001g	0403	0.00000	NA	0.00021	633	0.00664	28	0.00064	336
4001g	0404	0.01405	10	0.00166	143	0.00122	176	0.00394	47
4001g	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00603	29	0.00031	519
4001g	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00060	311	0.00000	NA
4001g	0407	0.00016	405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4001g	0408	0.00005	724	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00075	293
4001g	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	740
4001g	0701	0.00251	70	0.00022	539	0.00213	104	0.00027	553
4001g	0801	0.00358	51	0.00062	323	0.00000	NA	0.00050	440
4001g	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00031	443	0.00000	NA
4001g	0803	0.00011	479	0.00000	NA	0.00916	18	0.00000	NA
4001g	0804	0.00000	NA	0.00062	322	0.00000	NA	0.00000	NA
4001g	0809	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00227	99	0.00000	NA
4001g	0901	0.00109	164	0.00000	NA	0.01225	12	0.00000	NA
4001g	1001	0.00044	261	0.00021	673	0.00143	152	0.00050	424
4001g	1101	0.00198	98	0.00083	264	0.00866	21	0.00000	NA
4001g	1102	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00023	836
4001g	1103	0.00026	336	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4001g	1201g	0.00067	210	0.00000	NA	0.00412	48	0.00084	257
4001g	1202	0.00000	NA	0.00021	631	0.00261	81	0.00000	NA
4001g	1301	0.00126	149	0.00101	225	0.00033	438	0.00050	394
4001g	1302	0.01378	11	0.00187	130	0.00086	240	0.00117	198
4001g	1303	0.00010	495	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4001g	1304	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	809
4001g	1305	0.00000	NA	0.00021	583	0.00000	NA	0.00000	NA
4001g	1312	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00067	291	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
4001g	1401g	0.00069	206	0.00000	NA	0.00158	137	0.00000	NA
4001g	1403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00005	694	0.00000	NA
4001g	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00191	117	0.00000	NA
4001g	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00214	103	0.00000	NA
4001g	1501	0.00521	35	0.00063	312	0.00909	19	0.00075	290
4001g	1502	0.00006	592	0.00021	670	0.00283	74	0.00000	NA
4001g	1601	0.00030	313	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	656
4001g	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00251	86	0.00000	NA
4002g	0101	0.00024	351	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4002g	0103	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	533
4002g	0301	0.00008	523	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4002g	0401	0.00075	195	0.00001	762	0.00063	303	0.00000	NA
4002g	0402	0.00009	500	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4002g	0403	0.00019	384	0.00000	NA	0.00116	185	0.00142	168
4002g	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00747	19
4002g	0405	0.00000	NA	0.00062	321	0.00000	NA	0.00000	NA
4002g	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	459	0.00000	NA
4002g	0407	0.00007	540	0.00062	320	0.00000	NA	0.01064	7
4002g	0408	0.00016	409	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4002g	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00514	30
4002g	0417	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	800
4002g	0701	0.00055	232	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4002g	0801	0.00054	234	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4002g	0802	0.00000	NA	0.00021	615	0.00285	72	0.00836	16
4002g	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00321	64	0.00025	722
4002g	0804	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00088	249
4002g	0806	0.00000	NA	0.00021	585	0.00000	NA	0.00000	NA
4002g	0811	0.00000	NA	0.00021	556	0.00000	NA	0.00000	NA
4002g	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00409	50	0.00000	NA
4002g	1101	0.00279	65	0.00093	241	0.00106	205	0.00231	91
4002g	1103	0.00006	688	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4002g	1104	0.00008	519	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00075	296
4002g	1109	0.00006	679	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4002g	1201g	0.00014	419	0.00011	742	0.00145	148	0.00045	474
4002g	1301	0.00203	92	0.00042	427	0.00000	NA	0.00086	253
4002g	1302	0.00014	424	0.00000	NA	0.00029	473	0.00029	534
4002g	1303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	743
4002g	1401g	0.00021	362	0.00000	NA	0.00107	203	0.00000	NA
4002g	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00399	45
4002g	1404	0.00013	445	0.00000	NA	0.00071	286	0.00000	NA
4002g	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00283	75	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
4002g	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00145	167
4002g	1501	0.00054	238	0.00000	NA	0.00545	33	0.00078	271
4002g	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00554	32	0.00025	601
4002g	1601	0.00017	399	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4002g	1602	0.00089	181	0.00021	640	0.00000	NA	0.00281	70
4003	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	541	0.00000	NA
4003	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	496	0.00000	NA
4003	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	510	0.00000	NA
4003	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00085	251	0.00000	NA
4003	1401g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	520	0.00000	NA
4003	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	631	0.00000	NA
4004	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00150	159
4004	0701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	784
4004	0804	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	774
4004	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	683
4005	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00310	65
4005	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00053	373
4005	0804	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	818
4005	1305	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	666
4005	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00102	220
4005	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00037	497
4006	0101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	393	0.00000	NA
4006	0301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00032	441	0.00000	NA
4006	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00083	259	0.00000	NA
4006	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	527	0.00000	NA
4006	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00204	106	0.00000	NA
4006	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00037	413	0.00000	NA
4006	0408	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	528	0.00000	NA
4006	0701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	691	0.00000	NA
4006	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00231	97	0.00000	NA
4006	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00786	23	0.00000	NA
4006	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00198	110	0.00000	NA
4006	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00289	71	0.00000	NA
4006	1103	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	452
4006	1104	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00034	433	0.00075	294
4006	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00111	196	0.00000	NA
4006	1301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00073	283	0.00000	NA
4006	1302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	639	0.00025	672
4006	1404	0.00006	606	0.00021	677	0.00421	46	0.00000	NA
4006	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	341	0.00000	NA
4006	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00486	39	0.00075	304

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
4006	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00378	55	0.00000	NA
4006	1601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	694
4006	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00122	177	0.00025	655
4008	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	718
4008	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00075	289
4008	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	169
4008	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00075	287
4008	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	783
4008	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00035	504
4008	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00150	158
4008	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	744
4010	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	368	0.00000	NA
4011	0301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	805
4011	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	641
4011	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	409
4011	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00087	251
4011	1302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00014	848
4011	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	690
4012	0301	0.00000	NA	0.00021	612	0.00000	NA	0.00000	NA
4012	1001	0.00000	NA	0.00042	403	0.00000	NA	0.00000	NA
4012	1201g	0.00000	NA	0.00000	763	0.00000	NA	0.00000	NA
4012	1301	0.00000	NA	0.00041	443	0.00000	NA	0.00000	NA
4016	0806	0.00000	NA	0.00021	581	0.00000	NA	0.00000	NA
4016	1102	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	607
4016	1301	0.00000	NA	0.00021	568	0.00000	NA	0.00000	NA
4020	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	457
4023	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	506	0.00000	NA
4027	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00100	226
4040	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	534	0.00000	NA
4050	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	539	0.00000	NA
4101	0101	0.00005	725	0.00021	576	0.00000	NA	0.00000	NA
4101	0102	0.00004	734	0.00044	386	0.00000	NA	0.00000	NA
4101	0301	0.00054	240	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00044	476
4101	0401	0.00005	726	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4101	0402	0.00011	484	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4101	0403	0.00000	NA	0.00042	430	0.00000	NA	0.00000	NA
4101	0404	0.00035	297	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00051	389
4101	0405	0.00038	287	0.00041	444	0.00028	614	0.00171	137
4101	0701	0.00155	131	0.00069	300	0.00085	244	0.00244	88
4101	0804	0.00006	680	0.00021	551	0.00000	NA	0.00246	86
4101	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	765

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
4101	1001	0.00007	545	0.00041	415	0.00028	651	0.00000	NA
4101	1101	0.00000	NA	0.00073	288	0.00000	NA	0.00020	843
4101	1102	0.00006	629	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4101	1301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00027	558
4101	1302	0.00000	NA	0.00025	513	0.00000	NA	0.00277	72
4101	1303	0.00018	393	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4101	1305	0.00025	345	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00115	199
4101	1401g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00035	502
4101	1501	0.00006	707	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4101	1503	0.00000	NA	0.00122	182	0.00000	NA	0.00000	NA
4102	0101	0.00002	753	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4102	0301	0.00000	NA	0.00028	502	0.00000	NA	0.00072	318
4102	0302	0.00000	NA	0.00027	505	0.00000	NA	0.00000	NA
4102	0403	0.00004	737	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4102	0404	0.00018	394	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4102	0701	0.00022	360	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4102	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	704
4102	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	741
4102	0804	0.00000	NA	0.00022	540	0.00000	NA	0.00000	NA
4102	0901	0.00000	NA	0.00090	249	0.00000	NA	0.00075	301
4102	1001	0.00000	NA	0.00042	428	0.00000	NA	0.00000	NA
4102	1101	0.00021	369	0.00025	511	0.00000	NA	0.00000	NA
4102	1102	0.00000	NA	0.00027	503	0.00000	NA	0.00000	NA
4102	1104	0.00045	256	0.00021	569	0.00000	NA	0.00024	832
4102	1301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00030	524
4102	1302	0.00021	365	0.00133	169	0.00000	NA	0.00025	810
4102	1303	0.00210	87	0.00089	253	0.00000	NA	0.00276	74
4102	1501	0.00014	423	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4102	1503	0.00000	NA	0.00122	181	0.00000	NA	0.00000	NA
4102	1602	0.00006	689	0.00060	334	0.00000	NA	0.00025	828
4103	0102	0.00000	NA	0.00021	675	0.00000	NA	0.00000	NA
4103	0301	0.00000	NA	0.00021	659	0.00000	NA	0.00000	NA
4103	0901	0.00000	NA	0.00021	626	0.00000	NA	0.00000	NA
4103	1302	0.00000	NA	0.00021	607	0.00000	NA	0.00000	NA
4103	1602	0.00000	NA	0.00021	669	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	0102	0.00000	NA	0.00218	115	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	0103	0.00000	NA	0.00015	734	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	0301	0.00000	NA	0.00178	139	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	0302	0.00000	NA	0.02826	1	0.00000	NA	0.00326	59
4201	0306	0.00000	NA	0.00021	666	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	0401	0.00000	NA	0.00035	463	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
4201	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	697
4201	0403	0.00000	NA	0.00021	699	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	0405	0.00000	NA	0.00081	269	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	0701	0.00000	NA	0.00026	509	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	0804	0.00000	NA	0.00570	33	0.00000	NA	0.00124	188
4201	0901	0.00000	NA	0.00032	484	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	707
4201	1101	0.00000	NA	0.00218	117	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	1102	0.00000	NA	0.00192	126	0.00000	NA	0.00050	410
4201	1104	0.00000	NA	0.00021	634	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	1110	0.00000	NA	0.00021	555	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	1201g	0.00000	NA	0.00052	363	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	1202	0.00000	NA	0.00021	635	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	1301	0.00000	NA	0.00195	124	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	1302	0.00000	NA	0.00331	73	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	1303	0.00000	NA	0.00113	194	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	1304	0.00000	NA	0.00024	523	0.00000	NA	0.00000	NA
4201	1401g	0.00000	NA	0.00132	171	0.00000	NA	0.00025	679
4201	1503	0.00000	NA	0.00084	260	0.00000	NA	0.00026	571
4202	0102	0.00000	NA	0.00075	283	0.00000	NA	0.00000	NA
4202	0301	0.00000	NA	0.00056	348	0.00000	NA	0.00000	NA
4202	0302	0.00000	NA	0.00045	377	0.00000	NA	0.00050	458
4202	0403	0.00000	NA	0.00055	351	0.00000	NA	0.00000	NA
4202	0406	0.00000	NA	0.00021	687	0.00000	NA	0.00000	NA
4202	0804	0.00006	601	0.00190	127	0.00000	NA	0.00075	286
4202	1001	0.00000	NA	0.00022	538	0.00000	NA	0.00000	NA
4202	1101	0.00000	NA	0.00052	362	0.00000	NA	0.00000	NA
4202	1102	0.00000	NA	0.00021	671	0.00000	NA	0.00000	NA
4202	1201g	0.00000	NA	0.00084	262	0.00000	NA	0.00000	NA
4202	1301	0.00000	NA	0.00024	530	0.00000	NA	0.00000	NA
4202	1302	0.00000	NA	0.00025	515	0.00000	NA	0.00000	NA
4202	1303	0.00006	608	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	414
4202	1305	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	755
4202	1503	0.00000	NA	0.00057	344	0.00000	NA	0.00000	NA
4402g	0101	0.00826	21	0.00179	138	0.00038	407	0.00226	93
4402g	0102	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00051	388
4402g	0103	0.00068	209	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4402g	0301	0.00165	117	0.00109	203	0.00058	316	0.00029	535
4402g	0401	0.03265	4	0.00649	28	0.00057	363	0.00450	37
4402g	0402	0.00085	184	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00505	33
4402g	0403	0.00009	502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00091	244

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
4402g	0404	0.00161	120	0.00042	407	0.00000	NA	0.00066	333
4402g	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00030	523
4402g	0407	0.00054	236	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4402g	0408	0.00015	413	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4402g	0701	0.00193	102	0.00000	NA	0.00108	202	0.00198	110
4402g	0801	0.00199	96	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00032	516
4402g	0802	0.00000	NA	0.00021	574	0.00000	NA	0.00000	NA
4402g	0803	0.00006	572	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4402g	0901	0.00098	172	0.00006	753	0.00000	NA	0.00026	592
4402g	1001	0.00038	288	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	751
4402g	1101	0.00732	25	0.00268	94	0.00029	463	0.00351	52
4402g	1102	0.00000	NA	0.00026	507	0.00000	NA	0.00000	NA
4402g	1103	0.00069	203	0.00021	570	0.00000	NA	0.00031	520
4402g	1104	0.00247	73	0.00042	436	0.00000	NA	0.00145	166
4402g	1201g	0.00421	41	0.00155	151	0.00028	505	0.00168	141
4402g	1301	0.00996	15	0.00068	301	0.00255	83	0.00551	28
4402g	1302	0.00237	76	0.00147	157	0.00000	NA	0.00057	358
4402g	1303	0.00026	331	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4402g	1311	0.00006	588	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4402g	1320	0.00000	NA	0.00021	710	0.00000	NA	0.00000	NA
4402g	1401g	0.00130	145	0.00112	195	0.00028	550	0.00082	261
4402g	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00033	436	0.00000	NA
4402g	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00049	388	0.00000	NA
4402g	1501	0.00748	23	0.00235	106	0.00000	NA	0.00154	149
4402g	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00080	268	0.00000	NA
4402g	1601	0.00209	89	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00018	845
4402g	1602	0.00007	546	0.00021	636	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	0101	0.00118	154	0.00186	134	0.00068	289	0.00081	264
4403	0102	0.00054	239	0.00066	304	0.00000	NA	0.00308	67
4403	0103	0.00035	296	0.00015	731	0.00000	NA	0.00070	322
4403	0301	0.00057	229	0.00101	226	0.00030	456	0.00140	171
4403	0302	0.00000	NA	0.00138	167	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	0305	0.00000	NA	0.00010	744	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	0401	0.00066	212	0.00130	173	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	0402	0.00025	349	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00098	235
4403	0403	0.00007	555	0.00000	NA	0.00194	115	0.00043	478
4403	0404	0.00063	217	0.00070	297	0.00000	NA	0.00167	142
4403	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00071	287	0.00358	50
4403	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00015	684	0.00000	NA
4403	0407	0.00003	743	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	0408	0.00000	NA	0.00021	629	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
4403	0701	0.03892	3	0.01415	7	0.02351	3	0.03597	1
4403	0801	0.00059	225	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00031	517
4403	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	657	0.00000	NA
4403	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00089	232	0.00000	NA
4403	0804	0.00000	NA	0.00097	231	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	0806	0.00000	NA	0.00116	191	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	0901	0.00004	733	0.00000	NA	0.00026	662	0.00000	NA
4403	1001	0.00029	319	0.00004	757	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	1101	0.00146	135	0.00335	72	0.00067	292	0.00079	270
4403	1102	0.00000	NA	0.00058	338	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	1103	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00076	278
4403	1104	0.00012	462	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	1201g	0.00029	321	0.00093	238	0.00062	307	0.00000	NA
4403	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00023	667	0.00000	NA
4403	1301	0.00069	202	0.00188	128	0.00056	372	0.00247	85
4403	1302	0.00041	272	0.00101	223	0.01071	15	0.00198	109
4403	1303	0.00000	NA	0.00032	482	0.00000	NA	0.00041	483
4403	1311	0.00000	NA	0.00010	745	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	1331	0.00000	NA	0.00021	695	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	1401g	0.00048	250	0.00079	274	0.00048	390	0.00079	267
4403	1404	0.00000	NA	0.00021	575	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	1501	0.00194	101	0.00104	215	0.00000	NA	0.00408	43
4403	1503	0.00006	604	0.01802	4	0.00028	498	0.00073	315
4403	1504	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	827
4403	1601	0.00006	569	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4403	1602	0.00000	NA	0.00108	206	0.00000	NA	0.00025	749
4404	0701	0.00006	581	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4404	1101	0.00043	264	0.00021	667	0.00000	NA	0.00025	635
4404	1303	0.00006	574	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4404	1401g	0.00007	531	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4405	0101	0.00044	262	0.00021	676	0.00000	NA	0.00075	288
4405	0301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	700
4405	0401	0.00008	526	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4405	0402	0.00006	584	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4405	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	806
4405	0701	0.00008	520	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4405	0901	0.00004	735	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4405	1101	0.00013	433	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4405	1103	0.00006	692	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4405	1104	0.00037	290	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4405	1301	0.00015	417	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Majers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
4405	1401g	0.00006	570	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4405	1601	0.00095	174	0.00021	680	0.00000	NA	0.00025	752
4409	0401	0.00006	595	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4410	0101	0.00000	NA	0.00023	532	0.00000	NA	0.00000	NA
4410	0405	0.00000	NA	0.00021	662	0.00000	NA	0.00000	NA
4410	0901	0.00000	NA	0.00039	454	0.00000	NA	0.00025	657
4410	1401g	0.00000	NA	0.00042	413	0.00000	NA	0.00000	NA
4415	1102	0.00000	NA	0.00021	661	0.00000	NA	0.00000	NA
4418	0301	0.00000	NA	0.00021	704	0.00000	NA	0.00000	NA
4501g	0102	0.00000	NA	0.00520	43	0.00000	NA	0.00026	584
4501g	0301	0.00007	530	0.00326	75	0.00000	NA	0.00169	139
4501g	0302	0.00000	NA	0.00307	79	0.00000	NA	0.00000	NA
4501g	0401	0.00197	100	0.00118	187	0.00028	521	0.00000	NA
4501g	0402	0.00006	654	0.00000	NA	0.00028	604	0.00000	NA
4501g	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00073	317
4501g	0404	0.00013	460	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4501g	0405	0.00000	NA	0.00089	252	0.00000	NA	0.00073	316
4501g	0407	0.00000	NA	0.00021	713	0.00000	NA	0.00025	652
4501g	0701	0.00122	151	0.00523	41	0.00058	319	0.00222	97
4501g	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	423
4501g	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00079	269
4501g	0804	0.00000	NA	0.00132	170	0.00000	NA	0.00000	NA
4501g	0806	0.00000	NA	0.00021	602	0.00000	NA	0.00000	NA
4501g	0901	0.00016	407	0.00177	140	0.00000	NA	0.00073	312
4501g	1001	0.00006	566	0.00079	273	0.00000	NA	0.00122	191
4501g	1101	0.00021	361	0.00492	49	0.00000	NA	0.00062	343
4501g	1102	0.00000	NA	0.00110	199	0.00000	NA	0.00053	371
4501g	1104	0.00000	NA	0.00062	318	0.00028	621	0.00000	NA
4501g	1201g	0.00012	473	0.00159	148	0.00000	NA	0.00154	152
4501g	1301	0.00000	NA	0.00299	82	0.00000	NA	0.00050	432
4501g	1302	0.00000	NA	0.00412	57	0.00027	658	0.00000	NA
4501g	1304	0.00000	NA	0.00024	529	0.00000	NA	0.00000	NA
4501g	1306	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	625
4501g	1401g	0.00000	NA	0.00073	287	0.00028	542	0.00000	NA
4501g	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	553	0.00025	713
4501g	1501	0.00025	337	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00164	145
4501g	1503	0.00000	NA	0.00526	40	0.00000	NA	0.00084	255
4601	0301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	661	0.00000	NA
4601	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00062	308	0.00000	NA
4601	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00112	195	0.00000	NA
4601	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00173	124	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
4601	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00060	313	0.00000	NA
4601	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00942	17	0.00000	NA
4601	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.03148	1	0.00000	NA
4601	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00199	109	0.00000	NA
4601	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00144	149	0.00000	NA
4601	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00420	47	0.00000	NA
4601	1312	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00080	266	0.00000	NA
4601	1401g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00316	65	0.00000	NA
4601	1403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00074	279	0.00000	NA
4601	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00045	395	0.00000	NA
4601	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00117	184	0.00000	NA
4601	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00061	310	0.00000	NA
4601	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00148	144	0.00000	NA
4701	0101	0.00000	NA	0.00021	591	0.00000	NA	0.00000	NA
4701	0301	0.00012	472	0.00042	422	0.00000	NA	0.00000	NA
4701	0401	0.00014	428	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4701	0405	0.00057	227	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00120	196
4701	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	855
4701	0701	0.00094	175	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	393
4701	0901	0.00000	NA	0.00021	560	0.00000	NA	0.00000	NA
4701	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	542
4701	1102	0.00000	NA	0.00042	399	0.00000	NA	0.00000	NA
4701	1104	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	862
4701	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	706
4701	1301	0.00031	312	0.00000	NA	0.00028	525	0.00028	544
4701	1302	0.00021	363	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4701	1303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	764
4701	1401g	0.00006	618	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4702	0701	0.00006	663	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4703	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	678
4703	1503	0.00000	NA	0.00042	392	0.00000	NA	0.00000	NA
4801g	0301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	562	0.00000	NA
4801g	0403	0.00019	379	0.00000	NA	0.00125	175	0.00000	NA
4801g	0404	0.00006	599	0.00000	NA	0.00000	NA	0.01062	8
4801g	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00182	118	0.00026	580
4801g	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00058	354
4801g	0410	0.00000	NA	0.00021	573	0.00000	NA	0.00000	NA
4801g	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00101	221
4801g	0701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	567	0.00077	275
4801g	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00337	56
4801g	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00447	45	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
4801g	1101	0.00025	338	0.00000	NA	0.00270	79	0.00000	NA
4801g	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00234	93	0.00007	869
4801g	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00093	229	0.00000	NA
4801g	1303	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	583
4801g	1401g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00195	113	0.00000	NA
4801g	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00300	68
4801g	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00099	217	0.00000	NA
4801g	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00063	340
4801g	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00242	90	0.00000	NA
4801g	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00071	288	0.00000	NA
4801g	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	616	0.00100	228
4802	0411	0.00000	NA	0.00021	655	0.00000	NA	0.00025	660
4803	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	711
4803	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	676
4803	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00034	429	0.00000	NA
4803	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00079	270	0.00000	NA
4803	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	721
4803	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	509	0.00000	NA
4804	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	549	0.00000	NA
4804	1301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	508	0.00000	NA
4804	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	594	0.00000	NA
4901	0101	0.00204	91	0.00027	506	0.00000	NA	0.00000	NA
4901	0102	0.00000	NA	0.00058	337	0.00000	NA	0.00103	216
4901	0103	0.00000	NA	0.00021	599	0.00000	NA	0.00000	NA
4901	0301	0.00026	332	0.00112	196	0.00000	NA	0.00000	NA
4901	0302	0.00000	NA	0.00118	186	0.00000	NA	0.00000	NA
4901	0401	0.00039	282	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4901	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00041	485
4901	0404	0.00006	711	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4901	0405	0.00177	111	0.00143	163	0.00000	NA	0.00415	42
4901	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	746
4901	0407	0.00010	496	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4901	0408	0.00006	696	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4901	0701	0.00069	204	0.00078	276	0.00028	491	0.00185	120
4901	0804	0.00000	NA	0.00086	257	0.00000	NA	0.00000	NA
4901	0901	0.00000	NA	0.00205	120	0.00000	NA	0.00073	313
4901	1001	0.00006	585	0.00089	251	0.00000	NA	0.00218	99
4901	1101	0.00263	68	0.00303	80	0.00000	NA	0.00154	150
4901	1102	0.00051	245	0.00098	230	0.00000	NA	0.00250	83
4901	1103	0.00005	728	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
4901	1104	0.00131	144	0.00042	437	0.00000	NA	0.00099	233

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
4901	1201g	0.00006	683	0.00033	476	0.00000	NA	0.00027	567
4901	1301	0.00032	309	0.00078	278	0.00000	NA	0.00134	175
4901	1302	0.00158	124	0.00267	96	0.00057	358	0.00350	53
4901	1303	0.00006	718	0.00080	271	0.00000	NA	0.00000	NA
4901	1304	0.00000	NA	0.00009	750	0.00000	NA	0.00025	668
4901	1305	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00034	509
4901	1401g	0.00011	483	0.00070	295	0.00000	NA	0.00019	844
4901	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	708
4901	1501	0.00129	146	0.00002	761	0.00000	NA	0.00180	127
4901	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	581	0.00000	NA
4901	1503	0.00000	NA	0.00909	14	0.00000	NA	0.00000	NA
4901	1601	0.00006	622	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	0101	0.00018	392	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	0102	0.00000	NA	0.00024	519	0.00000	NA	0.00051	387
5001	0301	0.00122	150	0.00000	NA	0.00113	188	0.00204	105
5001	0302	0.00000	NA	0.00030	493	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	0401	0.00003	740	0.00042	406	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	0403	0.00007	562	0.00000	NA	0.00085	252	0.00000	NA
5001	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00056	364
5001	0406	0.00013	448	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	639
5001	0701	0.00508	37	0.00279	89	0.00397	51	0.00611	23
5001	0801	0.00009	508	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	0804	0.00000	NA	0.00093	239	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	0806	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	681
5001	0901	0.00000	NA	0.00015	733	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00038	491
5001	1101	0.00000	NA	0.00078	275	0.00028	519	0.00026	576
5001	1102	0.00006	577	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	1103	0.00013	439	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	1104	0.00016	404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	1201g	0.00003	745	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	1301	0.00007	533	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	1302	0.00047	252	0.00044	387	0.00000	NA	0.00241	89
5001	1303	0.00012	471	0.00018	721	0.00000	NA	0.00050	455
5001	1401g	0.00000	NA	0.00095	235	0.00057	355	0.00000	NA
5001	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	648	0.00000	NA
5001	1501	0.00022	358	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	379
5001	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	608	0.00000	NA
5001	1503	0.00000	NA	0.00100	227	0.00000	NA	0.00000	NA
5001	1602	0.00000	NA	0.00117	190	0.00000	NA	0.00075	280
5002	0301	0.00006	636	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
5002	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	717
5002	1103	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00075	298
5002	1501	0.00006	652	0.00021	606	0.00000	NA	0.00000	NA
5101g	0101	0.00526	34	0.00108	207	0.00232	96	0.00267	80
5101g	0103	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	771
5101g	0301	0.00127	148	0.00048	371	0.00059	315	0.00278	71
5101g	0302	0.00000	NA	0.00033	475	0.00000	NA	0.00000	NA
5101g	0401	0.00245	74	0.00042	394	0.00134	164	0.00026	587
5101g	0402	0.00031	311	0.00000	NA	0.00094	226	0.00170	138
5101g	0403	0.00029	315	0.00000	NA	0.00159	135	0.00056	362
5101g	0404	0.00284	63	0.00081	270	0.00028	493	0.00322	62
5101g	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00323	63	0.00086	252
5101g	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00127	174	0.00000	NA
5101g	0407	0.00158	123	0.00062	319	0.00000	NA	0.00325	60
5101g	0408	0.00043	266	0.00021	637	0.00054	379	0.00136	173
5101g	0411	0.00000	NA	0.00021	565	0.00000	NA	0.00572	25
5101g	0701	0.00314	57	0.00227	110	0.00173	123	0.00784	17
5101g	0801	0.00252	69	0.00125	177	0.00037	417	0.00193	112
5101g	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00377	56	0.00500	34
5101g	0803	0.00050	246	0.00021	641	0.00101	214	0.00000	NA
5101g	0804	0.00000	NA	0.00046	376	0.00000	NA	0.00000	NA
5101g	0806	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	644
5101g	0901	0.00158	125	0.00155	150	0.01032	16	0.00084	258
5101g	1001	0.00014	426	0.00016	729	0.00000	NA	0.00070	323
5101g	1101	0.00869	18	0.00139	166	0.00527	35	0.00512	31
5101g	1102	0.00013	450	0.00076	280	0.00000	NA	0.00075	283
5101g	1103	0.00034	299	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5101g	1104	0.00061	220	0.00030	490	0.00028	524	0.00095	238
5101g	1106	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00085	253	0.00000	NA
5101g	1201g	0.00060	222	0.00024	527	0.00512	36	0.00000	NA
5101g	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00194	114	0.00025	790
5101g	1301	0.00637	30	0.00092	243	0.00373	57	0.00404	44
5101g	1302	0.00045	258	0.00028	501	0.00023	668	0.00182	124
5101g	1303	0.00006	666	0.00408	58	0.00000	NA	0.00000	NA
5101g	1305	0.00006	703	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5101g	1401g	0.00101	168	0.00042	389	0.00168	127	0.00026	577
5101g	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00102	219
5101g	1403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00140	161	0.00000	NA
5101g	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00328	62	0.00000	NA
5101g	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00104	208	0.00025	615
5101g	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	547	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
5101g	1412	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	540	0.00000	NA
5101g	1419	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	514	0.00000	NA
5101g	1501	0.00407	42	0.00108	209	0.00540	34	0.00225	95
5101g	1502	0.00006	613	0.00000	NA	0.00098	221	0.00000	NA
5101g	1503	0.00000	NA	0.00124	179	0.00028	620	0.00000	NA
5101g	1601	0.00060	224	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00091	245
5101g	1602	0.00007	547	0.00108	208	0.00074	282	0.00084	256
5102	0102	0.00000	NA	0.00021	561	0.00000	NA	0.00000	NA
5102	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	420
5102	0407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00129	179
5102	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	551	0.00000	NA
5102	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00008	692	0.00185	121
5102	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00181	119	0.00000	NA
5102	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	470	0.00000	NA
5102	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	385	0.00000	NA
5102	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00137	163	0.00000	NA
5102	1304	0.00000	NA	0.00021	660	0.00000	NA	0.00000	NA
5102	1401g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00161	134	0.00000	NA
5102	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00137	172
5102	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	517	0.00000	NA
5102	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	445
5102	1601	0.00006	624	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5105	1404	0.00013	456	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5106	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	612	0.00000	NA
5106	0701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00113	192	0.00000	NA
5106	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	359	0.00000	NA
5106	1301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	559	0.00000	NA
5106	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	725
5106	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	577	0.00000	NA
5107	0101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00056	370	0.00000	NA
5107	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	474	0.00000	NA
5107	0701	0.00006	645	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5107	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	546
5107	1101	0.00019	382	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00047	470
5107	1104	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	803
5108	0101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	333	0.00000	NA
5108	0301	0.00007	560	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5108	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	865
5108	0701	0.00012	475	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5108	0801	0.00002	750	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5108	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00014	685	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
5108	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00014	688	0.00000	NA
5108	1101	0.00006	705	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5108	1301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00036	500
5108	1302	0.00012	464	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00040	487
5108	1303	0.00006	668	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	448
5108	1501	0.00012	469	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5108	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	856
5109	1101	0.00044	259	0.00042	391	0.00000	NA	0.00000	NA
5109	1302	0.00000	NA	0.00021	559	0.00000	NA	0.00000	NA
5109	1401g	0.00000	NA	0.00021	690	0.00000	NA	0.00000	NA
5114	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	430
5119	0101	0.00006	607	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5137	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	635	0.00000	NA
5201g	0101	0.00052	243	0.00016	727	0.00057	321	0.00000	NA
5201g	0102	0.00006	600	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5201g	0103	0.00006	650	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5201g	0301	0.00019	385	0.00029	495	0.00095	227	0.00050	462
5201g	0302	0.00006	628	0.00242	104	0.00000	NA	0.00000	NA
5201g	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	578
5201g	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00391	52	0.00021	839
5201g	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00269	77
5201g	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00142	159	0.00000	NA
5201g	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00085	242	0.00000	NA
5201g	0411	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00229	92
5201g	0701	0.00011	485	0.00000	NA	0.00035	421	0.00034	506
5201g	0703	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	615	0.00000	NA
5201g	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	596	0.00000	NA
5201g	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00034	428	0.00208	103
5201g	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00088	235	0.00050	397
5201g	0804	0.00000	NA	0.00017	724	0.00000	NA	0.00037	495
5201g	0806	0.00000	NA	0.00061	330	0.00000	NA	0.00000	NA
5201g	0901	0.00000	NA	0.00022	544	0.00064	301	0.00025	603
5201g	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00146	146	0.00025	815
5201g	1101	0.00027	325	0.00010	749	0.00098	222	0.00000	NA
5201g	1102	0.00000	NA	0.00025	517	0.00000	NA	0.00000	NA
5201g	1104	0.00050	247	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	600
5201g	1202	0.00000	NA	0.00042	417	0.00032	442	0.00000	NA
5201g	1301	0.00009	501	0.00312	78	0.00000	NA	0.00029	530
5201g	1302	0.00035	295	0.00024	521	0.00000	NA	0.00000	NA
5201g	1303	0.00012	465	0.00344	70	0.00000	NA	0.00075	282
5201g	1304	0.00000	NA	0.00062	324	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
5201g	1312	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	629	0.00000	NA
5201g	1401g	0.00000	NA	0.00038	457	0.00057	324	0.00017	846
5201g	1402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	574
5201g	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00167	129	0.00000	NA
5201g	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	475	0.00000	NA
5201g	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00346	54
5201g	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00157	139	0.00062	344
5201g	1502	0.00718	26	0.00104	216	0.01981	5	0.00977	9
5201g	1503	0.00000	NA	0.00071	290	0.00000	NA	0.00000	NA
5201g	1601	0.00007	529	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5201g	1602	0.00000	NA	0.00015	730	0.00000	NA	0.00125	182
5301	0101	0.00010	494	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5301	0102	0.00032	307	0.00567	35	0.00000	NA	0.00311	64
5301	0301	0.00000	NA	0.00452	52	0.00000	NA	0.00050	391
5301	0302	0.00000	NA	0.00355	69	0.00000	NA	0.00000	NA
5301	0305	0.00000	NA	0.00010	746	0.00000	NA	0.00000	NA
5301	0401	0.00000	NA	0.00032	479	0.00000	NA	0.00000	NA
5301	0405	0.00000	NA	0.00038	456	0.00000	NA	0.00031	518
5301	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	684
5301	0701	0.00013	436	0.00739	20	0.00000	NA	0.00000	NA
5301	0801	0.00006	695	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5301	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	645
5301	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00014	689	0.00000	NA
5301	0804	0.00013	447	0.01960	2	0.00000	NA	0.00100	225
5301	0806	0.00000	NA	0.00021	644	0.00000	NA	0.00021	840
5301	0901	0.00000	NA	0.00438	54	0.00014	686	0.00125	184
5301	1001	0.00000	NA	0.00254	99	0.00000	NA	0.00050	442
5301	1101	0.00005	723	0.01657	5	0.00000	NA	0.00089	247
5301	1102	0.00000	NA	0.00509	44	0.00000	NA	0.00000	NA
5301	1104	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00027	562
5301	1201g	0.00000	NA	0.00273	91	0.00000	NA	0.00107	212
5301	1202	0.00000	NA	0.00021	645	0.00000	NA	0.00000	NA
5301	1301	0.00000	NA	0.00438	55	0.00000	NA	0.00000	NA
5301	1302	0.00228	79	0.00870	16	0.00028	638	0.00356	51
5301	1303	0.00000	NA	0.00908	15	0.00000	NA	0.00080	265
5301	1304	0.00000	NA	0.00095	234	0.00000	NA	0.00000	NA
5301	1311	0.00000	NA	0.00010	743	0.00000	NA	0.00000	NA
5301	1401g	0.00000	NA	0.00108	210	0.00000	NA	0.00000	NA
5301	1406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	625	0.00000	NA
5301	1501	0.00017	402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	594
5301	1503	0.00000	NA	0.01393	8	0.00000	NA	0.00106	213

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
5301	1602	0.00000	NA	0.00140	164	0.00000	NA	0.00000	NA
5401	0101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	480	0.00000	NA
5401	0301	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	365	0.00000	NA
5401	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	858
5401	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.01545	8	0.00013	860
5401	0701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00035	426	0.00000	NA
5401	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00460	44	0.00000	NA
5401	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00251	84	0.00000	NA
5401	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00062	306	0.00000	NA
5401	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00110	198	0.00000	NA
5401	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00147	145	0.00000	NA
5401	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00250	87	0.00000	NA
5401	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00245	88	0.00000	NA
5401	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00043	399	0.00000	NA
5501	0101	0.00080	190	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00034	513
5501	0103	0.00011	486	0.00021	715	0.00000	NA	0.00030	526
5501	0301	0.00040	281	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00038	493
5501	0302	0.00000	NA	0.00021	550	0.00000	NA	0.00000	NA
5501	0401	0.00068	207	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5501	0402	0.00000	NA	0.00021	646	0.00000	NA	0.00000	NA
5501	0403	0.00001	758	0.00000	NA	0.00028	538	0.00000	NA
5501	0404	0.00029	317	0.00042	410	0.00028	636	0.00048	465
5501	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	849
5501	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	431
5501	0407	0.00198	97	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00103	217
5501	0408	0.00006	690	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5501	0701	0.00077	194	0.00000	NA	0.00020	676	0.00000	NA
5501	0801	0.00020	374	0.00019	720	0.00000	NA	0.00025	687
5501	0901	0.00011	488	0.00021	650	0.00028	503	0.00000	NA
5501	1001	0.00007	536	0.00021	652	0.00077	273	0.00000	NA
5501	1101	0.00147	134	0.00042	426	0.00066	296	0.00275	75
5501	1103	0.00027	326	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5501	1104	0.00017	400	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5501	1111	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	352	0.00000	NA
5501	1201g	0.00002	751	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	728
5501	1301	0.00153	133	0.00000	NA	0.00085	255	0.00000	NA
5501	1302	0.00111	163	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00095	239
5501	1340	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	753
5501	1401g	0.00468	38	0.00104	219	0.00000	NA	0.00192	114
5501	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00053	381	0.00000	NA
5501	1501	0.00193	103	0.00085	259	0.00068	290	0.00075	306

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
5501	1502	0.00005	729	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5501	1601	0.00060	221	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00026	570
5501	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	537	0.00000	NA
5502	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00014	687	0.00000	NA
5502	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00076	276	0.00000	NA
5502	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00263	80	0.00000	NA
5502	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00052	383	0.00000	NA
5502	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00341	59	0.00000	NA
5502	1101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00171	125	0.00000	NA
5502	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00103	212	0.00000	NA
5502	1312	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00055	378	0.00000	NA
5502	1401g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00065	298	0.00000	NA
5502	1403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	656	0.00000	NA
5502	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	468	0.00000	NA
5502	1407	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	640	0.00000	NA
5502	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00226	101	0.00000	NA
5502	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00109	200	0.00000	NA
5512	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	607	0.00000	NA
5601	0101	0.00251	71	0.00021	689	0.00000	NA	0.00249	84
5601	0102	0.00000	NA	0.00042	423	0.00000	NA	0.00000	NA
5601	0301	0.00018	396	0.00013	737	0.00000	NA	0.00000	NA
5601	0302	0.00000	NA	0.00040	450	0.00000	NA	0.00000	NA
5601	0401	0.00054	235	0.00021	639	0.00000	NA	0.00000	NA
5601	0403	0.00019	388	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00013	859
5601	0404	0.00002	746	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5601	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00128	171	0.00000	NA
5601	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00085	256	0.00000	NA
5601	0408	0.00011	489	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5601	0701	0.00011	487	0.00030	492	0.00000	NA	0.00010	867
5601	0801	0.00020	373	0.00042	405	0.00028	634	0.00000	NA
5601	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	602	0.00000	NA
5601	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00037	414	0.00000	NA
5601	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00063	304	0.00000	NA
5601	1101	0.00000	759	0.00000	NA	0.00029	462	0.00000	NA
5601	1104	0.00007	528	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5601	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00082	261	0.00000	NA
5601	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00037	412	0.00000	NA
5601	1301	0.00038	285	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00042	482
5601	1302	0.00027	327	0.00000	NA	0.00028	605	0.00000	NA
5601	1401g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	522	0.00000	NA
5601	1501	0.00038	284	0.00000	NA	0.00081	263	0.00025	723

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
5601	1502	0.00000	NA	0.00021	643	0.00138	162	0.00000	NA
5601	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	483	0.00013	863
5602	0408	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	613	0.00000	NA
5603	0406	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	628	0.00000	NA
5603	0901	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	469	0.00000	NA
5603	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00056	371	0.00000	NA
5603	1302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	482	0.00000	NA
5604	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00142	153	0.00000	NA
5701	0101	0.00156	127	0.00039	455	0.00054	380	0.00000	NA
5701	0103	0.00002	754	0.00021	718	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	0301	0.00082	187	0.00021	554	0.00033	435	0.00060	349
5701	0401	0.00012	474	0.00024	525	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	0402	0.00025	348	0.00000	NA	0.00085	247	0.00050	439
5701	0403	0.00006	659	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	545
5701	0404	0.00042	268	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00053	372
5701	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	353	0.00000	NA
5701	0407	0.00018	397	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	0408	0.00006	710	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	0418	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	653
5701	0701	0.02689	6	0.00249	101	0.01283	11	0.00713	20
5701	0801	0.00026	334	0.00021	656	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	0806	0.00000	NA	0.00021	600	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00076	275	0.00034	511
5701	1101	0.00089	180	0.00000	NA	0.00101	215	0.00000	NA
5701	1102	0.00006	687	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	1104	0.00042	269	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	1201g	0.00011	481	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	512	0.00000	NA
5701	1301	0.00142	139	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	1302	0.00036	292	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	1303	0.00032	305	0.00042	396	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	1305	0.00159	122	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	791
5701	1401g	0.00002	748	0.00021	579	0.00000	NA	0.00000	NA
5701	1404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00192	116	0.00000	NA
5701	1501	0.00220	82	0.00021	604	0.00104	211	0.00090	246
5701	1502	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	444
5701	1506	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	337	0.00000	NA
5701	1601	0.00023	356	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	434
5701	1602	0.00006	635	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	0101	0.00000	NA	0.00021	614	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	0102	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	729

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
5702	0301	0.00000	NA	0.00064	311	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	0302	0.00000	NA	0.00042	400	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	0701	0.00015	418	0.00044	384	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	0804	0.00000	NA	0.00021	580	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	0901	0.00005	727	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	1001	0.00000	NA	0.00042	412	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	1101	0.00013	453	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	1303	0.00000	NA	0.00042	404	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	1304	0.00000	NA	0.00041	420	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	1401g	0.00000	NA	0.00040	451	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	1503	0.00006	704	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5702	1602	0.00000	NA	0.00060	336	0.00000	NA	0.00000	NA
5703	0101	0.00000	NA	0.00065	310	0.00000	NA	0.00000	NA
5703	0102	0.00000	NA	0.00107	211	0.00000	NA	0.00000	NA
5703	0301	0.00000	NA	0.00013	739	0.00000	NA	0.00046	472
5703	0302	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00176	131
5703	0401	0.00000	NA	0.00047	372	0.00000	NA	0.00000	NA
5703	0404	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00050	419
5703	0701	0.00006	648	0.00300	81	0.00000	NA	0.00061	348
5703	0804	0.00000	NA	0.00021	553	0.00000	NA	0.00024	835
5703	0901	0.00000	NA	0.00111	198	0.00000	NA	0.00000	NA
5703	1001	0.00000	NA	0.00056	349	0.00000	NA	0.00025	767
5703	1101	0.00007	554	0.00324	76	0.00000	NA	0.00025	620
5703	1103	0.00000	NA	0.00021	562	0.00000	NA	0.00000	NA
5703	1201g	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00046	471
5703	1301	0.00006	640	0.00567	34	0.00000	NA	0.00000	NA
5703	1302	0.00006	698	0.00186	132	0.00000	NA	0.00075	284
5703	1303	0.00000	NA	0.00743	19	0.00000	NA	0.00074	309
5703	1305	0.00000	NA	0.00021	691	0.00000	NA	0.00000	NA
5703	1331	0.00000	NA	0.00021	587	0.00000	NA	0.00000	NA
5703	1401g	0.00006	676	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	611
5703	1501	0.00000	NA	0.00022	547	0.00000	NA	0.00000	NA
5703	1503	0.00000	NA	0.00521	42	0.00000	NA	0.00025	613
5703	1602	0.00000	NA	0.00223	114	0.00000	NA	0.00025	778
5704	0102	0.00000	NA	0.00034	469	0.00000	NA	0.00000	NA
5704	0301	0.00000	NA	0.00021	653	0.00000	NA	0.00000	NA
5704	0701	0.00000	NA	0.00060	335	0.00000	NA	0.00000	NA
5704	0804	0.00000	NA	0.00025	512	0.00000	NA	0.00000	NA
5704	1302	0.00000	NA	0.00026	510	0.00000	NA	0.00000	NA
5704	1503	0.00000	NA	0.00031	486	0.00000	NA	0.00000	NA
5704	1602	0.00000	NA	0.00095	237	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
5801g	0101	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00096	236
5801g	0102	0.00000	NA	0.00057	343	0.00000	NA	0.00076	279
5801g	0301	0.00046	255	0.00188	129	0.02943	2	0.00152	156
5801g	0302	0.00000	NA	0.00163	144	0.00000	NA	0.00000	NA
5801g	0402	0.00006	590	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5801g	0403	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00038	409	0.00000	NA
5801g	0404	0.00011	480	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00029	539
5801g	0405	0.00013	459	0.00027	504	0.00083	257	0.00025	699
5801g	0408	0.00006	685	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5801g	0701	0.00034	301	0.00561	36	0.00176	122	0.00220	98
5801g	0804	0.00051	244	0.00057	342	0.00000	NA	0.00051	384
5801g	0901	0.00000	NA	0.00066	309	0.00133	168	0.00000	NA
5801g	1001	0.00000	NA	0.00091	246	0.00058	317	0.00125	185
5801g	1101	0.00000	NA	0.00187	131	0.00168	128	0.00025	770
5801g	1102	0.00019	383	0.00373	67	0.00000	NA	0.00077	274
5801g	1103	0.00001	755	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5801g	1110	0.00000	NA	0.00021	682	0.00000	NA	0.00000	NA
5801g	1201g	0.00000	NA	0.00092	245	0.00066	293	0.00000	NA
5801g	1202	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00079	272	0.00000	NA
5801g	1301	0.00007	550	0.00250	100	0.00140	160	0.00000	NA
5801g	1302	0.00189	107	0.00393	61	0.01716	7	0.00152	155
5801g	1303	0.00062	218	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5801g	1304	0.00000	NA	0.00053	359	0.00000	NA	0.00176	132
5801g	1401g	0.00006	568	0.00032	477	0.00028	583	0.00000	NA
5801g	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00157	140	0.00027	555
5801g	1502	0.00006	591	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	661
5801g	1503	0.00000	NA	0.00843	17	0.00000	NA	0.00199	107
5801g	1601	0.00013	437	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
5801g	1602	0.00000	NA	0.00018	723	0.00000	NA	0.00000	NA
5802	0301	0.00000	NA	0.00053	360	0.00000	NA	0.00000	NA
5802	0305	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	654
5802	0401	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	748
5802	0402	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	710
5802	0701	0.00000	NA	0.00408	59	0.00000	NA	0.00000	NA
5802	0804	0.00000	NA	0.00113	193	0.00000	NA	0.00000	NA
5802	0806	0.00000	NA	0.00030	491	0.00000	NA	0.00000	NA
5802	1101	0.00000	NA	0.00091	247	0.00000	NA	0.00030	521
5802	1102	0.00006	580	0.00507	46	0.00000	NA	0.00110	208
5802	1104	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00073	311
5802	1201g	0.00000	NA	0.01466	6	0.00000	NA	0.00075	291
5802	1301	0.00000	NA	0.00778	18	0.00000	NA	0.00025	821

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
5802	1302	0.00000	NA	0.00202	121	0.00000	NA	0.00000	NA
5802	1303	0.00000	NA	0.00078	277	0.00000	NA	0.00000	NA
5802	1304	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00037	498
5802	1503	0.00000	NA	0.00368	68	0.00000	NA	0.00000	NA
5802	1601	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	794
5901	0405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00679	27	0.00000	NA
5901	0803	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	323	0.00000	NA
5901	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00057	354	0.00000	NA
5901	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00030	454	0.00000	NA
6701	0101	0.00006	619	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
6701	0410	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	652	0.00000	NA
6701	0801	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	633	0.00000	NA
6701	0802	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	511	0.00000	NA
6701	1405	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	516	0.00000	NA
6701	1602	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00142	157	0.00000	NA
6702	1001	0.00000	NA	0.00021	627	0.00000	NA	0.00000	NA
7301	0103	0.00006	637	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA
7301	0405	0.00013	452	0.00000	NA	0.00028	593	0.00025	634
7301	0804	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	734
7301	1103	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	738
7301	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	814
7801	0102	0.00000	NA	0.00047	373	0.00000	NA	0.00025	605
7801	0301	0.00000	NA	0.00024	520	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	0302	0.00000	NA	0.00074	285	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	0405	0.00000	NA	0.00021	632	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	0701	0.00000	NA	0.00201	122	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	0804	0.00000	NA	0.00093	240	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	0901	0.00000	NA	0.00042	419	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	1001	0.00000	NA	0.00024	522	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	1101	0.00000	NA	0.00139	165	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	1102	0.00000	NA	0.00045	381	0.00000	NA	0.00050	399
7801	1301	0.00000	NA	0.00194	125	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	1302	0.00000	NA	0.00273	90	0.00000	NA	0.00050	449
7801	1303	0.00000	NA	0.00024	526	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	1336	0.00000	NA	0.00021	678	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	1401g	0.00000	NA	0.00026	508	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	1501	0.00000	NA	0.00021	714	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	1601	0.00000	NA	0.00021	622	0.00000	NA	0.00000	NA
7801	1602	0.00000	NA	0.00039	452	0.00000	NA	0.00000	NA
7802	0806	0.00000	NA	0.00021	601	0.00000	NA	0.00000	NA
8101g	0102	0.00000	NA	0.00058	341	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Majers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.

B	DRB1	EUR_freq	EUR_rank	AFA_freq	AFA_rank	API_freq	API_rank	HIS_freq	HIS_rank
8101g	0301	0.00000	NA	0.00034	472	0.00000	NA	0.00000	NA
8101g	0302	0.00000	NA	0.00051	367	0.00000	NA	0.00000	NA
8101g	0701	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00025	787
8101g	0804	0.00000	NA	0.00268	95	0.00000	NA	0.00000	NA
8101g	0901	0.00000	NA	0.00022	541	0.00000	NA	0.00000	NA
8101g	1001	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	571	0.00000	NA
8101g	1101	0.00000	NA	0.00290	85	0.00000	NA	0.00066	332
8101g	1102	0.00000	NA	0.00070	298	0.00000	NA	0.00050	425
8101g	1201g	0.00000	NA	0.00557	38	0.00028	555	0.00025	726
8101g	1301	0.00000	NA	0.00110	200	0.00000	NA	0.00025	606
8101g	1302	0.00000	NA	0.00121	183	0.00000	NA	0.00034	507
8101g	1303	0.00000	NA	0.00011	740	0.00000	NA	0.00000	NA
8101g	1331	0.00000	NA	0.00021	630	0.00000	NA	0.00000	NA
8101g	1401g	0.00000	NA	0.00056	350	0.00000	NA	0.00025	619
8101g	1501	0.00000	NA	0.00000	NA	0.00028	529	0.00000	NA
8101g	1503	0.00000	NA	0.00223	113	0.00000	NA	0.00000	NA
8101g	1602	0.00000	NA	0.00063	313	0.00000	NA	0.00000	NA
8201	0405	0.00000	NA	0.00018	722	0.00000	NA	0.00000	NA
8201	1101	0.00000	NA	0.00106	213	0.00000	NA	0.00000	NA
8201	1304	0.00000	NA	0.00021	618	0.00000	NA	0.00000	NA
8201	1503	0.00000	NA	0.00021	647	0.00000	NA	0.00000	NA
8202	0301	0.00000	NA	0.00021	708	0.00000	NA	0.00000	NA
8202	1401g	0.00000	NA	0.00021	595	0.00000	NA	0.00000	NA
8202	1503	0.00000	NA	0.00021	685	0.00000	NA	0.00000	NA

Note: The allele designations in this table with the "g" suffix refer to allele groups defined in Table 1 in the publication:
Maiers, M., Gragert, L., Klitz, W. High resolution HLA alleles and haplotypes in the US population. 2007.